

CURRICULUM VITAE



INFORMAZIONI PERSONALI

Nome ANNA LOY
Indirizzo [REDACTED]
Telefono [REDACTED]
E-mail a.loy@unimol.it
Nazionalità Italiana
Data di nascita [REDACTED]

POSIZIONE ATTUALE

PROFESSORE ASSOCIATO
DIPARTIMENTO BIOSCIENZE E TERRITORIO
UNIVERSITÀ DEL MOLISE
SETTORE BIO/05
D.R.B232 13.02.07

ORCID ID: 0000-0002-8934-6694
SCOPUS ID: 7005747774
[HTTPS://WWW.RESEARCHGATE.NET/PROFILE/LOY_ANNA/REPUTATION](https://www.researchgate.net/profile/LOY_ANNA/REPUTATION)

2017 **ABILITAZIONE ALLA I FASCIA (VALIDITA' 28/03/2017 - 28/03/2023) BANDO D.D. 1532/2016 SETTORE CONCORSUALE 05/B1 ZOOLOGIA E ANTROPOLOGIA**

ISTRUZIONE E FORMAZIONE: TITOLI

1994-1996 Borsa di studio per attività di ricerca **Post-dottorato**, settore Biologia, (D.R. 05.10.1994)
Istituzione Università di Roma "Sapienza"
Voto 54/60, 2 classificata

1992 **Dottorato di Ricerca**, Biologia Evoluzionistica, VI ciclo
Istituto di istruzione Università di Roma "Sapienza", 1 Ottobre 1992

1981-1985 Borsa di studio quadriennale 'Censimento e Catalogazione dei beni Ambientali e Culturali della Regione Lazio' (delibera n.6810/1981).
Voto 1 classificata

1981 **Laurea in Scienze Biologiche**
Istituto di istruzione Università di Roma 'Sapienza', 25 Maggio 1981
Voto 110/110 cum laude

1975 **Maturità Classica**
Istituto di istruzione Liceo Sperimentale di Roma, 22 Luglio 1975
Voto 60/60

ISTRUZIONE E FORMAZIONE: CORSI DI PERFEZIONAMENTO

2013 **'Integration and modularity with Geometric Morphometrics'** Sabadell 1-6 Aprile 2013
Istituzione Transmitting Science

2012 **'3D Morphometrics'**, 3rd edition Sabadell, Spain.
Istituzione Transmitting Science

2010 **'Geometric Morphometrics Laboratory for Systematic and Evolutionary Researches'**
Istituzione Università degli Studi del Molise

2002 Istituzione	Geometric Morphometrics Laboratory Museo Civico di Zoologia di Roma
1999 Istituzione	Workshop ' Geographic Information System ' American Society of Mammalogy, Austin, Texas, USA
1990 Istituzione	Corso ' Analisi dei Dati e Statistica nella Ricerca Biologica ' Università di Roma "La Sapienza"
1990 Istituzione	Stony Brook Morphometric Workshop State University of New York, NY, USA
1989 Istituzione	Corso teorico-pratico ' Ibridazioni molecolari e Sequenziamento del DNA ' Università di Roma "La Sapienza"
1985 Istituzione	Corso ' Computer Applications in Multivariate Statistics ' Wildlife Society, Washington
1985 Istituzione	Corso ' Computer Applications in Wildlife ' Università di Roma "La Sapienza"
1984 Istituzione	Scuola Estiva ' Metodi Statistici per lo Studio delle Comunità Naturali ', Università di Modena
1983 Istituzione	Scuola Estiva ' Programmazione degli esperimenti ed Analisi Statistica dei Dati in Ecologia ' Università di Modena
1982 Istituzione	Corso Introduttivo al sistema GENSTAT Università di Roma "La Sapienza"
1982 Istituzione	Corso Introduttivo ai Sistemi FORTRAN BASE ed EXEC 1100 Centro di Calcolo Interfacoltà- Università di Roma "La Sapienza"

CAPACITÀ E COMPETENZE PERSONALI

MADRELINGUA ITALIANO

ALTRE LINGUE INGLESE

- Capacità di lettura OTTIMO
- Capacità di scrittura OTTIMO
- Capacità di espressione orale OTTIMO

ALTRE LINGUE FRANCESE

- Capacità di lettura OTTIMO
- Capacità di scrittura BUONO
- Capacità di espressione orale OTTIMO

CORSI DI LINGUA E SOGGIORNI ALL'ESTERO

1975	Oxford, Settembre-Dicembre 1975– Exeter School, English Intermediate, 1 class
1975	Institut Catholique, Paris, France - Corso estivo di Francese
1974	Université de Caen, France - Corso estivo di Francese
1973	Megève, France - Corso estivo di Francese

Incarichi Accademici:

2019-presente	Presidente Consiglio Corso di Studi unificato di Biologia (Scienze Biologiche (L13) e Biologia (L6), Università degli studi del Molise
2016- 2019	Responsabile Sezione Ricerca Natura Ambiente Foreste - Dip Bioscienze e Territorio, Università del Molise
2004 - attualmente	Responsabile Collezione Didattica Zoologia Dip Bioscienze e Territorio
Triennio 2008-2011	Componente Giunta del Dipartimento STAT, Università del Molise
Triennio 2005-2008	Componente Giunta del Dipartimento STAT, Università del Molise
Triennio 2002-2005	Rappresentate Ricercatori al Consiglio di Facoltà Scienze MMFFNN, Università del Molise
2004-attualmente	Responsabile Laboratorio di Zoologia, Università del Molise

A.A. 2003-2004	Responsabile XV Settimana Cultura Scientifica e Tecnologica facoltà Scienze MM FF NN, Università del Molise
2007	Responsabile XIV Settimana Cultura Scientifica e Tecnologica facoltà Scienze MM FF NN, Università del Molise
2004	Revisore esterno tesi di Dottorato Romina Fusillo, Sapienza Università di Roma
2007	Revisore esterno tesi dottorato Paolo Piras, Università Roma Tre
2012	Revisore esterno tesi dottorato Stefania Gentili, Università di Udine
2013-2014-2017-2018	CommisSione Nazionale Ordine Nazionale dei Biologi.
2013-attualmente	Consiglio Docenti Dottorato 'Ambiente e Territorio', Università del Molise
2015-2016-2017	Commissione esami finali Dottorato Forest Ecology, Università della Tuscia. National committee for the final PhD exam in Animal Biology, University of Rome 'Sapienza', Italy.
CARICHE ONORIFICHE	
2019-2023	Commissione Scientifica CITES - Decreto del Ministro dell'Ambiente e della Tutela del Territorio e del Mare n. 14 del 29 gennaio 2019
2018-attualmente	IUCN SSC -Otter Specialist Group – Co-chair
2017 - attualmente	IUCN SSC -Otter Specialist Group - Continental coordinator for Europe and species coordinator for <i>Lutra lutra</i>
2017 - attualmente	IUCN SSC - Otter Specialist Group Management team
2005-attualmente	IUCN- SSC- Otter Specialist Group Rappresentante nazionale
2009 - attualmente	Assistant Editor – European Journal of Zoology (formerly Italian Journal of Zoology)
2016-2020	Presidente ATIt-Associazione Teriologica Italiana Onlus
2015-2016	Vicepresidente ATIt-Associazione Teriologica Italiana Onlus
2008 - 2009	Vicepresidente ATIt-Associazione Teriologica Italiana Onlus
2010 - 2011	Consiglio Direttivo ATIt-Associazione Teriologica Italiana Onlus
2015- attualmente	Direttore Centro Interuniversitario Ecologia Evolutiva (Univ Roma Tre e Università del Molise)
2013-2017	Commissione Fauna Unione Zoologica Italiana
CAPACITÀ E COMPETENZE INFORMATICHE	
	Ottima conoscenza dei sistemi operativi: Windows 95-98, XP, 2000 NT, Vista
	Ottima conoscenza Pacchetto Microsoft Office
	Ottima conoscenza software Morfometria Geometrica in 2d e 3d: tps series, MorphoJ, Morpheus, Morphplogika, Mashlab, Landmark, Geomorph
	Ottima conoscenza dei package statistico matematici: SPSS, SAS, Past, Statistica, NTSYS
	Buona conoscenza software R e GIS: Arc View 3.2, Arc GIS, QGIS
CONSULENZE	
2015	Responsabile scientifico 'Action Plan for the Eurasian Otter in the Hima Anjar-Kfar Zabad (Beqaa Valley, Lebanon) commissionato da Society of Protection of Nature in Lebanon
2007-2008	Consulenza progetto 'Ofanto e Lontre' - Società AGRICONSULTING
POSIZIONI PREGRESSE	
2000 – 2007	Ricercatore - Settore BIO/05
Istituzione	Università del Molise. Dipartimento STAT
Principali mansioni e responsabilità	Ricerca e Docenza (Lauree quinquennali, triennali e magistrali).
2000 - 2001	Contratto a progetto
Nome e indirizzo del datore di lavoro	Museo Civico di Zoologia di Roma, Via Aldrovandi 18, 00197 Roma
Mansioni e responsabilità	Allestimento Laboratorio di Morfometria Geometrica
1999	Comune di Roma
Nome e indirizzo del datore di lavoro	Istruttore Direttivo Zoologo-VII livello
Tipo di impiego	Gestione progetti fauna Comune di Roma
Principali mansioni e responsabilità	
1987	Società TELESPAZIO S.p.a., Via Bergamini, Roma
Nome e indirizzo del datore di lavoro	Collaborazione occasionale
Tipo di impiego	Docenza al corso ATLAS
Principali mansioni e responsabilità	
1987	Direzione Generale per la Cooperazione allo Sviluppo del Ministero degli Affari Esteri.
Nome e indirizzo del datore di lavoro	Collaborazione occasionale
Tipo di impiego	

Principali mansioni e responsabilità	Partecipazione come Esperto Settore Ambiente alla riunione degli Stati Membri/CEE sul tema 'Ambiente e Sviluppo' (Bruxelles, 15-16 settembre 1987).
1986	
Nome e indirizzo del datore di lavoro	Contratto per redazione di Carte Tematiche della Regione Umbria, attraverso Sistemi Informativi Territoriali
Tipo di impiego	
Principali mansioni e responsabilità	Società TELESPAZIO S.p.a., Via Bergamini, Roma Elaborazione carte tematiche con l'utilizzo del software Arc-INFO
1986	
Nome e indirizzo del datore di lavoro	V Corso di Formazione Professionale per le Guardie dei Parchi e delle Riserve della Regione Lazio (Latina, ottobre - dicembre 1986)
Tipo di impiego	
Principali mansioni e responsabilità	Ufficio Parchi e Riserve della Regione Lazio, Via R.R. Garibaldi, 7 - 00145 Roma Docenza e Assistenza interna
1985	
Nome e indirizzo del datore di lavoro	Lezioni di Ecologia, Zoologia e Strategia Mondiale della Conservazione nel II Corso di Formazione Professionale per Guide Naturalistiche (Sabaudia, maggio-luglio 1985)
Tipo di impiego	
Principali mansioni e responsabilità	Ufficio Parchi e Riserve della Regione Lazio, Via R.R. Garibaldi, 7 - 00145 Roma Docenza
1985	
Nome e indirizzo del datore di lavoro	Docenza di Ecologia, Zoologia e Strategia Mondiale della Conservazione nel Corso di Aggiornamento Professionale per l'Uso dei Prodotti del Sottobosco (Trevi nel Lazio, maggio-luglio 1985)
Tipo di impiego	
Principali mansioni e responsabilità	Ufficio Parchi e Riserve della Regione Lazio, Via R.R. Garibaldi, 7 - 00145 Roma Docenza
1985	
Nome e indirizzo del datore di lavoro	Ufficio Parchi e Riserve della Regione Lazio, Via R.R. Garibaldi, 7 - 00145 Roma Collaborazione occasionale
Tipo di impiego	
Principali mansioni e responsabilità	Docenza di Ecologia, Zoologia e Strategia Mondiale della Conservazione nel IV Corso di Formazione Professionale per Operatori Turistici del Parco Regionale dei Castelli Romani (Albano Laziale, RM, gennaio 1985)
1984	
Nome e indirizzo del datore di lavoro	Ufficio Parchi e Riserve della Regione Lazio, Via R.R. Garibaldi, 7 - 00145 Roma. Collaborazione occasionale
Tipo di impiego	
Principali mansioni e responsabilità	Docenza di Ecologia, Zoologia e Strategia Mondiale della Conservazione nel Corso di Aggiornamento Professionale per le Guardie della Riserva Naturale Regionale Tevere-Farfa (Turrata Tiberina, RM, novembre 1984), organizzato e gestito dall'Ufficio Parchi e Riserve della Regione Lazio
1984	
Nome e indirizzo del datore di lavoro	Ufficio Parchi e Riserve della Regione Lazio, Via R.R. Garibaldi, 7 - 00145 Roma Collaborazione occasionale
Tipo di impiego	
Principali mansioni e responsabilità	Docenza IV Corso di Formazione Professionale per le Guardie dei Parchi e delle Riserve della Regione Lazio (Latina, giugno - settembre 1984)
1983	
Nome e indirizzo del datore di lavoro	Ufficio Parchi e Riserve della Regione Lazio, Via R.R. Garibaldi, 7 - 00145 Roma Collaborazione occasionale
Tipo di impiego	
Principali mansioni e responsabilità	Docenza III Corso di Formazione Professionale per le Guardie dei Parchi e delle Riserve della Regione Lazio, (Sabaudia, ottobre-dicembre 1983).
1981	
Nome e indirizzo del datore di lavoro	Cooperativa LYNX s.r.l., Via Linneo 17, Roma Socio fondatore e Presidente (1985-1987)
Tipo di impiego	
Principali mansioni e responsabilità	Responsabile e Coordinatore Indagini faunistiche nell'area del costituendo Parco Regionale dei Monti della Laga e dei Monti Nuria e Nurietta (RI), commissionato alla dalla IV Comunità Montana del Velino (delibera N.12 del 20.2.1981).
FONDI DI RICERCA	
2017	FFABR – Fondo per il Finanziamento alla Ricerca di Base
2016	SYNTHESESYS Project SYNTH_FR-TAF-6905 'Intraspecific variation of the wide ranging semiaquatic <i>Lutra lutra</i> (Mammalia, Carnivora, Mustelidae) investigated through three-dimensional geometric morphometrics and spatial modelling approaches
2016	SYNTHESESYS Project SYNTH_SE-TAF-6787 'Intraspecific variation of the wide ranging semiaquatic <i>Lutra lutra</i> (Mammalia, Carnivora, Mustelidae) investigated through three-dimensional geometric morphometrics and spatial modelling approaches

- 2015** SYNTHESYS Project AT-TAF-5806 'Intraspecific variation of the wide ranging semiaquatic Lutra lutra (Mammalia, Carnivora, Mustelidae) investigated through molecular, morphometric, and spatial modelling approaches'
- 2015** SYNTHESYS DK-TAF-5900 Intraspecific variation of the wide ranging semiaquatic Lutra lutra (Mammalia, Carnivora, Mustelidae) investigated through molecular, morphometric, and spatial modelling approaches
- 2000-2001** Fondo 'Giovani Ricercatori 2000-2001' Università del Molise
- 2002-2003** Fondo 'Giovani Ricercatori 2002-2003' Università del Molise

**PARTECIPAZIONE PROGETTI EUROPEI E
EXTRAEUROPEI**

- 2015** Project 'Training and support for survey and action plan for the otter in the Beqaa Valley, Lebanon', Society for the Protection of Nature in Lebanon (SPNL). Responsabile scientifico
- 2010-2015** Responsabile sviluppo indici biodiversità progetto LIFE09 ENV/IT/000078 MANFOR C.BD – Managing forests for multiple purposes: carbon, biodiversity and socioeconomic benefits
Beneficiaries: CNR Project coordinator
CRA – Università del Molise . Slovenia Forest Institute – Regione Veneto - Regione Molise
- 2010-2015** Responsabile azioni di Conservazione sulla fauna Progetto LIFE10 NAT/IT/000262 MAESTRALE- Azioni mirate al ripristino e alla conservazione degli habitat dunali e retrodunali del Molise
Beneficiaries: comune di CAMPOMARINO(coordinator)
Università del Molise – Centro Studi Naturalistici – Ambiente Basso Molise
- 2009-2012** Progetto LIFE DINAMO NATIT00324, responsabile azioni fauna per coordinatore (Università del Molise) Responsabile azioni di Conservazione sulla fauna (C1-C4) Progetto LIFE08/NAT/IT000324 - DINAMO (Increasing endangered bioDiversity in Agricultural and semi-natural areas: innovative Management model) – Lead Partner: Università del Molise
- 2005-2007** Responsabile indagini faunistiche Progetto Transfrontaliero Adriatico INTERREG IIIA - GES.S.TER. -GESTIONE SOSTENIBILE DELLE AREE COSTIERE, Lead Partner Università degli Studi del Molise – Responsabile indagini faunistiche e analisi della distribuzione potenziale della fauna nei siti costieri del Molise.

CONVENZIONI CON ENTI PUBBLICI

- 2018 - 2019** Responsabile scientifico Accordo di Ricerca tra Università del Molise e Parco Nazionale d'Abruzzo, Lazio e Molise per la realizzazione di attività di ricerca mirate al monitoraggio e strategie di conservazione della lontra
- 2018 - 2019** Responsabile scientifico Accordo di Ricerca tra Università del Molise e Parco Nazionale del Gran Paradiso per la realizzazione di attività di ricerca mirate a un piano d'azione transnazionale per la lontra nell'arco alpino
- 2016 - 2018** Responsabile scientifico Accordo di Ricerca tra Università del Molise e Parco Nazionale del Cilento, Vallo di Diano e Alburni per la realizzazione di attività di ricerca nell'ambito dei progetti di sistema 'Conservazione della Puzzola' e 'Conservazione della Lontra'
- 2013 - 2014** Responsabile scientifico Convenzione tra Università del Molise e Ufficio Biodiversità Corpo Forestale dello Stato per studi su piccoli mammiferi forestali finalizzati ai Piani di gestione dei siti Natura 2000 IT7110104 - Cerrete di Monte Pagano e Feudozzo e la porzione del SIC T7110205- Parco Nazionale d'Abruzzo
- 2011 - 2015** Responsabile scientifico Convenzione tra Dip. Bioscienze e Territorio - Università del Molise e Comune di Pennadomo per studi su lontra e erpetofauna finalizzati al piano di gestione del SIC IT7140214- Gole di Pennadomo e Torricella Peligna'
- 2011 - 2012** Responsabile scientifico Convenzione tra Dip. BST- Università del Molise e Parco Nazionale d'Abruzzo, Lazio e Molise 'Censimento piccoli e medi carnivori e erpetofauna finalizzati al piano di gestione del SIC IT7110205'
- 2011** Responsabile scientifico Accordo di ricerca Società Aster spa 'Attività di studio e monitoraggio per la valutazione di impatto ambientale per la realizzazione del parco eolico previsto in località Casalpiano nel comune di San Martino in Pensilis (CB)'

- 2010-2012** | Responsabile scientifico Contratto di ricerca e di collaborazione scientifica tra Università del Molise e Provincia di Campobasso per l'acquisizione dei dati e la valutazione del nuovo Piano Faunistico – Venatorio Provinciale
- 2009-2011** | Responsabile scientifico Convenzione tra Università del Molise e Comune di Colli al Volturno progetto 'Osservatorio territoriale permanente'
- 2009-2011** | Responsabile scientifico Convenzione tra Regione Molise e Unione - Zoologica Italiana 'Indagini finalizzate alla realizzazione dei Piani di Gestione di 10 Siti Della Rete Natura 2000 Del Molise'
- 2007-2009** | Responsabile scientifico Convenzione tra Università del Molise e MATTM - Ministero dell'Ambiente, del Territorio e del Mare 'Indagini finalizzate alla realizzazione Rete Ecologica della lontra'
- 2005-2006** | Responsabile scientifico Convenzione tra il Consorzio Alto Molise Sviluppo e l'Università del Molise 'Indagini Conoscitive nei Siti di Interesse Comunitario dell'Alto Molise'.
- 2006-2007** | Responsabile scientifico Convenzione tra Comune di Borrello (CH) e l'Università del Molise 'Progetto Censimento Lontra e Valutazione degli ambienti ripariali del Torrente Verde'.
- 2004-2007** | Responsabile scientifico Convenzione tra il Comune di Isernia e l'Università del Molise: 'Parco Delle Testuggini nel pSIC IT7212130 Bosco La Difesa - C. Lucina - La Romana'
- 2004-2006** | Responsabile indagini faunistiche Convenzione tra l'Università degli Studi del Molise e il Comune di San Pietro Avellana per Analisi naturalistiche ai fini della predisposizione di un "Piano di Gestione" del Sito di Importanza Comunitaria IT7218213 "Isola della Fonte della Luna"
- 2006-2007** | Responsabile indagini faunistiche. Convenzione fra il Corpo Forestale dello Stato, Ufficio Territoriale per la Biodiversità di Isernia, e l'Università degli Studi del Molise, Dipartimento di Scienze e Tecnologie per l'Ambiente e il Territorio. "Attività di analisi naturalistica ai fini della revisione del "Piano di gestione" della Riserva MAB Collemeluccio-Montedimezzo"
- 2005-2007** | Responsabile scientifico indagini faunistiche Progetto INTERREG IIIA Transfrontaliero Adriatico GES.S.TER. -GESTione Sostenibile delle Aree Costiere, Lead Partner: Università degli Studi del Molise.– Responsabile indagini faunistiche e analisi della distribuzione potenziale della fauna nei SIC costieri del Molise.

LINEE DI RICERCA

1984- attualmente

SISTEMATICA, BIOGEOGRAFIA, FILOGENESI

Utilizzazione di tecniche molecolari e di morfometria geometrica per lo studio della filogenesi, variabilità geografica, ecogeografia, a scala nazionale, europea e globale dei seguenti taxa:

Lutrinae, Talpidae, Delfinidi (*Delphinus delphis*, *Stenella caeruleoalba*), *Ursus arctos*, *Martes* sp., *Sorex* sp., *Zamenis* sp., *Caretta caretta*, *Podarcis* sp

Collaborazioni

James F. Rohlf , State University of New York at Stony Brook
 Dennis F. Slice, Florida State University
 Dean E. Adams, Iowa State University
 Tassos Kotsakis, Università di Roma Tre
 Paolo Ciucci, Paolo Colangelo 'Sapienza' Università di Roma
 Ernesto Capanna, 'Sapienza' Università di Roma
 Pasquale Raia, Università di Napoli 'Federico II'
 Carlo Meloro, Liverpool John Moores University
 Adriano Martinoli, Università dell'Insubria

2005 – attualmente	<p>MONITORAGGIO, MODELLI DI DISTRIBUZIONE E SCENARI PREDITTIVI PER VERTEBRATI DI INTERESSE COMUNITARIO</p> <p>Monitoraggio standardizzati, Genetica Non Invasiva, e-DNA, modelli deterministici e inferenziali di distribuzione e nicchia ecologica di vertebrati della Rete Natura 2000 e per la lontra <i>Lutra lutra</i> a diverse scale spaziali. Impatto della gestione forestale sui Vertebrati di interesse comunitario. Impatti dei cambiamenti climatici e modelli predittivi di distribuzione di specie in Himalaya</p> <p>Collaborazioni: Antoine Guisan, Carmen Cianfrani - Università de Lausanne Maria Laura Carranza, EnvixLab, Università del Molise Jordi Ruiz Olmo, Direcion Medio Ambiente Cataluna, Spain Marcelo Cassini, Universidad Nacional de Luján, Argentina Marco Marchetti, Università del Molise Pietro Aucelli, Università Parthenope Napoli Maurizio Casiraghi, Università di Milano Bicocca Maria Vittoria Scorpio, Università di Bolzano Muarizio Casiraghi, Università Milano Bicocca</p>
Dal 2015	<p>BANCHE DATI FAUNISTICHE E STRUTTURA DELLE COMUNITA' DI PICCOLI MAMMIFERI</p> <p><i>Collaborazioni</i> Rocco Oliveto, Università del Molise Duccio Rocchini, Università di Trento</p>
2005 – attualmente	<p>RETI ECOLOGICHE E FUNZIONALITA' SPECIE-SPECIFICA PER LA FAUNA DI INTERESSE COMUNITARIO Utilizzazione di tecniche GIS e modelli statistici multivariati. Teoria dei grafi e cammini di costo minimo applicati alla definizione della connettività longitudinale e laterale per specie semiacquatiche.</p> <p><i>Collaborazioni:</i> Santiago Saura, Universidad de Madrid Maria Laura Carranza, Università del Molise</p>
2005 – attualmente	<p>ROAD ECOLOGY . Utilizzazione di tecniche GIS e di Ecologia del paesaggio per la produzione di carte del rischio di investimenti per la fauna. Elaborazione di protocolli europei di monitoraggio e mitigazione del rischio.</p> <p><i>Collaborazioni:</i> Maria Laura Carranza, Università del Molise Laura Bonesi, Università di Trieste</p>
2009- attualmente	<p>IMPATTO ENERGIE RINNOVABILI SULLA FAUNA</p> <p>Analisi dell'impatto cumulativo degli impianti eolici sulla Chrotterofauna in Molise</p> <p><i>Collaborazioni:</i> Danilo Russo, Università di Napoli Federico II</p>
1980- attualmente	<p>ECOLOGIA COMPORMENTALE E BIOLOGIA DELLE POPOLAZIONI. In particolare: Modelli di occupancy per microroditori di interesse forestale Ecologia comportamentale di <i>Talpa sp</i> Ecologia comportamentale di <i>Spalax sp</i> . Ecologia comportamentale e dinamica di popolazioni di <i>Eurotestudo hermanni</i> Dinamica di popolazione di <i>Bombina pachypus</i> Modelli di occupancy in roditori forestali Genetica non invasiva e dinamica di popolazione di <i>Lutra lutra</i></p> <p><i>Collaborazioni:</i> Marco Marchetti, Università del Molise Eviatar Nevo, Haifa University Massimo Capula, Museo Civico di Zoologia di Roma Angela Stanisci, Università del Molise</p>
ORGANIZZAZIONE E INVITI CORSI INTERNAZIONALI	
2010	GEOMETRIC MORPHOMETRICS WORKSHOP FOR EVOLUTIONARY AND SYSTEMATIC RESEARCHES , Università del Molise, January 2010, Pesche, Italy. (director and organizer)
2009	CONVEGNO CERVARO (INVITED SPEAKER)
2008	OTTER REINTRODUCTION WORKSHOP TICINO (ORGANIZED AND SPEAKER)
2009	TRIGNO INVITED SPEAKER
2005	EOW-EUROPEAN OTTER WORKSHOP, Padula 20-23 October 2005 (Head organizer, Scientific Committee)
2005	GEOMETRIC MORPHOMETRICS WORKSHOP Università del Molise, October-November 2005, Isernia, Italy. (organizer, director and lecturer)

2002	GEOMETRIC MORPHOMETRICS WORKSHOP Museo Civico di Zoologia di Roma, January 14-18, 2002, Rome, Italy. (organizer, director and lecturer)
1998	BEHAVIOURAL ECOLOGY OF FOSSORIAL MAMMALS , Euro-American Mammal Congress, Santiago de Compostela, Spain, July 19-24, 1998 (convener)
2002	ATELIER DE MORPHOMETRIE, Museum Nationale d'Histoire Naturelle, October 26-31, 2002 Paris, France. Museum national d'Histoire Naturelle (lecturer).
1997	LABORATORIO DI MORFOMETRIA GEOMETRICA, Università di Roma 'La Sapienza'. Rome, April 7-11, 1997 (lecturer)
CORSI (TITOLARITÀ E AFFIDAMENTI INTERNI)	
A.A. 2013-2018	ZOOLOGIA (8 CFU) – 1 anno laurea triennale in Scienze Biologiche ZOOLOGIA E ECOLOGIA DEI VERTEBRATI (6 CFU, laurea magistrale in Biologia - Università del Molise
A.A. 2010-2013	ZOOLOGIA E ELEMENTI DI ANATOMIA COMPARATA (8CFU, SB), ZOOLOGIA E ECOLOGIA DEI VERTEBRATI (5 CFU, laurea magistrale BAM) per i corsi di laurea triennale in Scienze Biologiche e laurea magistrale in Biologia Ambientale Università del Molise
A.A. 2009-2010	ZOOLOGIA E ELEMENTI DI ANATOMIA COMPARATA (8CFU, SB), ZOOLOGIA (4CFU, SAN), ECOLOGIA ANIMALE (5CFU,SAN), ZOOLOGIA E ECOLOGIA DEI VERTEBRATI (8 CFU, laurea magistrale BAM) per i corsi di laurea triennale in Scienze Biologiche, Scienze per l'Ambiente la Natura della Facoltà di S.M.F.N., laurea magistrale in Biologia Ambientale Università del Molise Gestione e Conservazione della Fauna, (5 CFU), laurea magistrale in Scienze Ambientali e Forestali, interfacoltà Scienze MMFFNN e Agraria Università del Molise
A.A. 2008-2009	ANATOMIA COMPARATA (3CFU, STB) ZOOLOGIA (4CFU, SAN, STB), ECOLOGIA ANIMALE (5CFU, SAN) per i corsi di laurea in Scienze e Tecnologie Bioanalitiche e Scienze per l'Ambiente e il Territorio della Facoltà di S.M.F.N. Università del Molise; Gestione e Conservazione della Fauna, laurea magistrale in Scienze Ambientali e Forestali, interfacoltà Scienze MMFFNN e Agraria Università del Molise
A.A. 2007-2008	ZOOLOGIA (4CFU, SAN), ECOLOGIA ANIMALE (5CFU, SAN) per i corsi di laurea in Scienze e Tecnologie Bioanalitiche e Scienze per l'Ambiente e il Territorio della Facoltà di S.M.F.N. Università del Molise
A.A. 2006-2007	ZOOLOGIA (4CFU), DIVERSITÀ ANIMALE (4CFU), ZOOLOGIA ADATTATIVA (4CFU) e di ECOLOGIA E CONSERVAZIONE DELLA FAUNA (5CFU) per i corsi di laurea in Scienze e Tecnologie Bioanalitiche e Scienze per l'Ambiente e il Territorio della Facoltà di S.M.F.N. Università del Molise
A.A. 2005-2006	ZOOLOGIA (4CFU), DIVERSITÀ ANIMALE (4CFU), ZOOLOGIA ADATTATIVA (4CFU) e di ECOLOGIA E CONSERVAZIONE DELLA FAUNA (5CFU) per i corsi di laurea in Scienze e Tecnologie Bioanalitiche e Scienze per l'Ambiente e il Territorio della Facoltà di S.M.F.N. Università del Molise
A.A. 2004-2005	ZOOLOGIA (4 CFU) e di ECOLOGIA ANIMALE (8 CFU) per i corsi di laurea in Scienze e Tecnologie Bioanalitiche e Scienze per l'Ambiente e il Territorio della Facoltà di S.M.F.N. Università del Molise
A.A. 2002-2003	Seminari di ' DIDATTICA DELLE SCIENZE ' per il corso di laurea in Scienza della Formazione Primaria presso il Centro Colozza dell'Università del Molise
A.A. 2001-2002	ZOOLOGIA (8 CFU) e di ECOLOGIA ANIMALE (80 ore) per i corsi di laurea in Scienze e Tecnologie Bioanalitiche e Scienze per l'Ambiente e il Territorio della Facoltà di S.M.F.N. Università del Molise
A.A. 2001-2002	BIOLOGIA ANIMALE (80 ore) per i corsi di laurea in Scienze e Tecnologie Bioanalitiche e Scienze per l'Ambiente e il Territorio della Facoltà di S.M.F.N. Università del Molise
CORSI (AFFIDAMENTI ESTERNI)	
A.A. 2010-2011	ANATOMIA COMPARATA (6CFU), per il corso di laurea triennale in Scienze Naturali , Facoltà Scienze MMFFNN, Università degli Studi 'Sapienza' di Roma
A.A. 2006-2007	Modulo di MORFOMETRIA (3CFU), per il corso di laurea magistrale in Biologia molecolare , Facoltà Scienze MMFFNN, Università degli Studi 'Sapienza' di Roma
A.A. 2006-2007	ANATOMIA COMPARATA (5CFU), per il corso di laurea triennale in Scienze Naturali , Facoltà Scienze MMFFNN, Università degli Studi 'Sapienza' di Roma
A.A. 2005-2006	ANATOMIA COMPARATA (corso di recupero) (5CFU), per il corso di laurea triennale in Scienze Biologiche, Facoltà Scienze MMFFNN, Università degli Studi 'La Sapienza' di Roma
ATTIVITÀ DI DIDATTICA A DISTANZA (E-LEARNING)	
A.A. 05-06	GESTIONE DELLA FAUNA SELVATICA NEGLI AMBIENTI MONTANI , Master universitario di secondo livello 'Gestione e Conservazione dell'Ambiente Montano'. Università del Molise - Istituto Nazionale della Montagna
A.A. 03-04	WILDLIFE ECOLOGY AND CONSERVATION (4CFU), Corso di Laurea Internazionale in 'Environmental Sciences' gestito dall'Università del Molise (Italia) per le Università di Spalato (Croazia) e Targovitz (Romania).
A.A. 03-04	ZOOLOGY (4CFU), Corso di Laurea Internazionale in 'Sciences and Technology for the Environment ' gestito dall'Università del Molise (Italia) per le Università di Spalato (Croazia) e Targovitz (Romania).

REVISIONI SCIENTIFICHE

Acta Herpetologica
Acta Ethologica
Acta Zoologica
Acta Zoologica Lituanica
African Journal of Ecology
Aldrovandia
Alouatta
Amphibia Reptilia
Animal Behaviour
Biological Journal of the Linnean Society
Compte Rendu de Zoologie
Ethology Ecology and Evolution
Folia Zoologica
Hystrix – Italian Journal of Mammalogy
Italian Journal of Zoology
iForest
European Journal of Zoology
Journal of Mammalian Evolution
Journal of Mammalogy
Journal of Zoology
Mammalia
Mammalian Biology
Mammal Review
Molecular Ecology and Evolution
Oryx
Otter Specialist Group Bulletin
Palaeontology
Paleogeography, Paleoclimatology, Paleoecology
PLOS ONE
Turkish Journal of Zoology
Wildlife Biology in Practice
Wildlife Research
Zookeys
Zoologischer Anzeiger
Zoomorphology

**ASSOCIAZIONI SCIENTIFICHE DI
APPARTENENZA**

Unione Zoologica Italiana
Associazione Teriologica Italiana

2019

1. Loy, A., Aloise, G., Ancillotto, L., Angelici, F. M., Bertolino, S., Capizzi, D., Castiglia R., Colangelo P., Contoli L., Cozzi B., Fontaneto, D., Lapini L., Maio N., Monaco A., Mori E., Nappi A., Podestà M., Russo D., Sarà M., Scandura M., Amori G. 2019. Mammals of Italy: an annotated checklist. *Hystrix*, 30(2). DOI: <https://doi.org/10.4404/hystrix-00196-2019>
2. Mazzamuto M.V., Su H.J., Guidarelli G., Preatoni D., Loy A., Martinoli A. (major revision) Mandible morphology as a tool to investigate origin, adaptation and stress in invasive alien species. First insights into *Callosciurus erythraeus* in Europe. *Biol J Linn Soc*
3. Sansalone G., Colangelo P., Loy A., Raia P., Wroe S., Piras P. 2019. Impact of subterranean transition on morphological disparity and integration in talpid moles (Mammalia, Talpidae). *BMC EVOLUTIONARY BIOLOGY* 19:179
4. Ducci L., Roscioni F. Carranza M.L, Agnelli P., Russo D., Frate L., Loy A., Santini G., Di Febbraro M. 2019. The role of protected areas in preserving habitat and functional connectivity for mobile flying vertebrates: the common noctule bat (*Nyctalus noctula*) as a case study. *BIODIVERSITY AND CONSERVATION* – doi <https://doi.org/10.1007/s10531-019-01744-5>
5. Di Febbraro M., Menchetti M., Russo D., Ancillotto L., Aloise G., Roscioni F., Preatoni D. G., Loy A., Martinoli A., Bertolino S., Mori E. 2019. Integrating climate and land–use change scenarios in modelling the future spread of invasive squirrels in Italy. *DIVERSITY AND DISTRIBUTION* <https://doi.org/10.1111/ddi.12890>
6. Fabrizio M., Di Febbraro M., D'Amico M., Frate L., Roscioni F. Loy A. 2019. Habitat suitability vs landscape connectivity determining road-kill risk at a regional scale: a case on European badger (*Meles meles*). *EUROPEAN JOURNAL WILDLIFE RESEARCH* 2019, 65:7 <https://doi.org/10.1007/s10344-018-1241-7>

2018

7. Di Febbraro M., Sallustio L., Vizzarri M., De Rosa D., DE Lisio L., Loy A., Eichelberger B., Marchetti M. (2018). Expert-based and correlative models to map habitat quality: Which gives better support to conservation planning?. *GLOBAL ECOLOGY AND CONSERVATION*, 16, e00513. Doi: [10.1016/j.gecco.2018.e00513](https://doi.org/10.1016/j.gecco.2018.e00513)
8. Quaglietta L., Fusillo R., Marcelli M., Loy A., Boitani L. 2018. First telemetry data on wild individuals from the threatened, isolated Italian otter (*Lutra lutra*) population. *MAMMALIA* <https://doi.org/10.1515/mammalia-2017-0157>
9. Di Febbraro, M., D'Amen, M.; De Rosa, D., Loy A., Guisan A. 2018. Estimating the effect of climate change on the distribution, richness and diversity of Mediterranean bird communities: the modelling method matters. *ECOLOGICAL MODELLING* 390:79-87 DOI: [10.1016/j.ecolmodel.2018.10.023](https://doi.org/10.1016/j.ecolmodel.2018.10.023)
10. Panizza C., Di Febbraro M., Altea T., Frate L1, Posillico M., Sallustio L., Santopoli G., Marchetti M., Loy A. 2018. Effect of imperfect detection on the estimation of niche overlap in two forest dormice. *IFOREST* 11: 482-490 [10.3832/ifor2738-011](https://doi.org/10.3832/ifor2738-011)
11. Panizza C., Di Febbraro M., Delucchi L., Oliveto R., Marchetti M, Loy A. 2018 OpenMICE: an open spatial and temporal data set of small mammals in south-central Italy based on owl pellet data *ECOLOGY Data papers* 99(12): 2874 <https://doi.org/10.1002/ecy.2506>
12. Carotenuto F., M. Di Febbraro , M. Melchionna , A. Mondanaro, S. Castiglione, C. Serio, L. Rook, A. Loy , M.S. Lima-Ribeiro , J.A.F. Diniz-Filho, P. Raia. 2018. The well-behaved killer. Eurasian late Pleistocene Humans were significantly associated with living megafauna only. *PALAEOGRAPHY, PALAEOCLIMATOLOGY, PALAEOECOLOGY* 500(1): 24-32 <https://doi.org/10.1016/j.palaeo.2018.03.036>
13. De Rosa D. Di Febbraro M., De Lisio L., De Sanctis A., Loy A 2018. The decline of the lanner falcon in Mediterranean landscapes: competition displacement or habitat loss? *ANIMAL CONSERVATION* doi.org/10.1111/acv.12430
14. Cianfrani, C., Broennimann, O., Loy, A., & Guisan, A. (2018). More than range exposure: Global otter vulnerability to climate change. *BIOLOGICAL CONSERVATION*, 221: 103-113. [103-113. 10.1016/j.biocon.2018.02.031](https://doi.org/10.1016/j.biocon.2018.02.031)
15. Guidarelli G., Colangelo P., de Francesco M. C., Nicolosi P., Meloro C., Loy A. 2018. Phenotypic changes across a geographic gradient: the case of three sympatric dolphin species. *EVOLUTIONARY BIOLOGY* 45 (1):113–125. DOI [10.1007/s11692-017-9435-6](https://doi.org/10.1007/s11692-017-9435-6) WOS:000425304900010
16. Sansalone G., Colangelo P., Kotsakis T., Loy A., Castiglia R. Bannikova A., Zemlemerova E., Piras P. 2018. Influence of evolutionary allometry on rates of morphological evolution and disparity in strictly subterranean moles (Talpinae, Talpidae, Lipotyphla, Mammalia). *JOURNAL OF MAMMALIAN EVOLUTION* 25 (1): 1-14. doi:[10.1007/s10914-016-9370-9](https://doi.org/10.1007/s10914-016-9370-9).

2017

17. Di Febbraro M., Carotenuto F., Castiglione S., Russo D., Loy A., Maiorano L., Raia P. 2017. Does the Jack of all Trades fare best? Survival and niche width in Late Pleistocene Megafauna. *JOURNAL OF BIOGEOGRAPHY* 44(12): 2828-2838. DOI 10.1111/jbi.13078 WOS:000416164500014
18. Loy A., Cassini M. H., Colangelo P., Di Febbraro M. 2017. Distribution, spatial interaction and niche analysis in three species of European moles (genus *Talpa*, Soricomorpha: Mammalia). *BIOL J LINN. SOC* 122(4): 872-882. <https://doi.org/10.1093/biolinnean/blx085>
19. Meloro, C., Guidarelli, G., Colangelo, P., Ciucci, P., Loy, A. 2017. Mandible size and shape in extant Ursidae (Carnivora, Mammalia): a tool for taxonomy and ecogeography. *JOURNAL OF ZOOLOGICAL SYSTEMATICS AND EVOLUTIONARY RESEARCH*. 55 (4), pp. 269-287 ISSN 1439-0469 <https://doi.org/10.1111/jzs.12171>

2016

20. de Francesco MC, Loy A (2016) Intra- and Interspecific Interactions as Proximate Determinants of Sexual Dimorphism and Allometric Trajectories in the Bottlenose Dolphin *Tursiops truncatus* (Cetacea, Odontoceti, Delphinidae). *PLOS ONE* 11(10): e0164287. <https://doi.org/10.1371/journal.pone.0164287>
21. Carotenuto F., Di Febbraro M., Melchionna M., Castiglione S., Saggese F., Serio C., Mondanaro A., Passaro F., Loy A., Raia P. 2016. The influence of climate on species distribution over time and space during the late Quaternary. *QUATERNARY SCIENCE REVIEWS* 149: 188-199. DOI: 10.1016/j.quascirev.2016.07.036
22. Foresta M, Carranza ML, Garfi V., Di Febbraro M., Marchetti M., Loy A. 2016 A systematic conservation planning approach to fire risk management in Natura 2000 sites. *JOURNAL OF ENVIRONMENTAL MANAGEMENT* 181: 574-581. IF (2015): 3.131 DOI: 10.1016/j.jenvman.2016.07.006 CITATIONS: 0

2015

23. Ducci L., Agnelli P., Di Febbraro M., Frate L., Russo D., Loy A., Carranza M.L., Santini, Roscioni F. 2015. *Different bat guilds perceive their habitat in different ways: a multiscale landscape approach for variable selection in species distribution modelling*. *LANDSCAPE ECOLOGY* 30(10) 2147–2159 DOI 10.1007/s10980-015-0237-x
24. Di Febbraro M., Roscioni F., Frate L., Carranza ML, De Lisio L., De Rosa D., Marchetti M., Loy A. 2015 *Long – term effects of traditional and conservation – oriented forest management on the distribution of vertebrates in Mediterranean forests: a hierarchical hybrid modelling approach*. *DIVERSITY AND DISTRIBUTION*: 21 (10), 1141-1154
25. Piras P., Sansalone G., Teresi L., Moscato M., Profico A., Eng R., Cox T., Loy, A., Colangelo P., Kotsakis, T. 2015. Digging adaptation in insectivorous subterranean Eutherians. The enigma of *Mesoscalops montanensis* unveiled by Geometric Morphometrics and Finite Element Analysis. *JOURNAL OF MORPHOLOGY*. Online version DOI: 10.1002/jmor.20405 IF(2014): 1.553
26. Mezzasalma M., Dall'Asta A., Loy A., Cheylan M., Lymberakis P., Zuffi M. A. L., Tomović L., Odierna G., Guarino F. M. 2015. *A sisters' story: comparative phylogeography and taxonomy of Hierophis viridiflavus and H. gemonensis (Serpentes, Colubridae)*. *ZOOLOGICA SCRIPTA* 44(5): 495-508. DOI: 10.1111/zsc.12115
27. Berardo F., Carranza ML, Frate L., Stanisci A., Loy A. 2015. *Seasonal habitat preference by the flagship species Testudo hermanni: implications for the conservation of coastal dunes*. *COMPTES RENDUS BIOLOGIES* 338 (2015) 343–350. DOI 10.1016/j.crv.2015.03.002 5-Year
28. Feuda R, Bannikova AA, Zemlemerova ED, Di Febbraro M, Loy A, Hutterer R, Aloise G, Zykov AE, Annesi F., Colangelo P. 2015. *Divergent lineages and glacial refugia of the subterranean mammal Talpa europaea (Mammalia, Talpidae) revealed by mitochondrial phylogeography and species distribution modelling*. *BIOLOGICAL JOURNAL OF THE LINNEAN SOCIETY* 114: 495-512. DOI: 10.1111/bij.12459
29. Lerone L., Carpaneto G.M, Loy A. 2015. *Why camera traps fail to detect a semi-aquatic mammal? Activation devices as possible cause*. *WILDLIFE SOCIETY BULLETIN* 39(1) 193-196 DOI: 10.1002/wsb.508 Scopus: 2-s2.0-84956687600. ISSN: 00917648 CODEN: WLSBA

SELEZIONE PUBBLICAZIONI IN ESTESO non ISI

1. Loy A., Giovacchini S., Marrese M., Loy A. (*under review*) Good news from the South: filling the gap between otter populations in Italy. *IUCN OTTER SPECIALIST GROUP BULLETIN*
2. Roos, A., Loy, A., de Silva, P., Hajkova, P. & Zemanová, B. 2015. *Lutra lutra*. The IUCN Red List of Threatened Species. Version 2015.2. <www.iucnredlist.org>. Downloaded on 11 July 2015.
3. Berardo F., Carranza M.L., Stanisci A., Loy A., Del Vecchio S., Roscioni F., Fusco S., Iannotta F., Ciccorelli G. 2012. Implementazione di un Sistema Informativo Territoriale per la gestione, il recupero e la conservazione della biodiversità nei sistemi di duna costiera. Il caso di MAESTRALE (LIFE 10NAT/IT/000262) 16a Conferenza Nazionale ASITA. Fiera di Vicenza. Atti: 203 – 209.
4. Marino D., Stanisci A., Loy A., Carranza M.L., Marchetti M., Di Carlo A., Blasi F., De Lisio L., Chiavetta U., Ciccorelli G., Antimiani F., Valenti S., Padovani L.M., Carrabba P., De Mei M., Cappuccio A. 2010. Il progetto DINAMO: conservazione della biodiversità in aree agricole. Una rete materiale e immateriale attivata nel Basso Molise. *ARS- Speciale Biodiversità* 125: 11-16
5. D'Alessandro E., Carranza M.L., Saura S., Loy A., Paura B. 2009. *Riquilificazione territoriale areale areale della lontra in Italia*. *Estimo e Territorio*. 12: 23-30.
6. D'Alessandro E., Carranza M. L., Saura S., Loy A. 2009. *Modello di rete ecologica per la lontra in Italia*. *Estimo e Territorio* 4: 31-38.
7. Ruiz-Olmo J., Loy A., Cianfrani C., Yoxon P., Yoxon G., de Silva P.K., Roos A., Bisther M., Hajkova P. & Zemanova B. 2008. *Lutra lutra*. In: IUCN 2009. IUCN Red List of Threatened Species. Version 2009.1. <www.iucnredlist.org>.
8. Loy A. 2006. The European Otter Workshop. *HYSTRIX IT. J. MAMM.* (n.s.) Vol. 17(1): 3.
9. Loy, A. 2006. An Italian Action Plan For The Eurasian Otter (*Lutra lutra*): Preliminary Contents.
10. IUCN Otter Spec. Group Bull. 23 (1): 26 – 27
11. Loy A. 2005. European Otter Workshop. Research advances and otter conservation in Europe. *IUCN OTTER SPECIALIST GROUP BULLETIN*. 2: 34-37.
12. Loy A., Bucci L., Carranza M.L., De Castro G., Di Marzio P., Reggiani G. 2004. Survey and habitat evaluation for a peripheral population of the Eurasian otter in Italy. *IUCN OTTER SPEC. GROUP BULL.* 21A: 1-9 .
13. Loy A., Bucci L., Carranza M.L., Di Martino P., Di Marzio P., Reggiani G., 2002. *Censimento della lontra (Lutra lutra, Carnivora, Mammalia) in Molise e validazione di modelli di idoneità ambientale attraverso applicazioni GIS*. In: Pappone G., Casciello E., Cesarano M., Piacquadio G. (a cura di) *ATTI DEL CONVEGNO "I SISTEMI DI INFORMAZIONE GEOGRAFICA (GIS) NELLA GESTIONE E LO SVILUPPO DELL'AMBIENTE E DEL TERRITORIO"*. Isernia, 20 novembre 2002: 86-89. .

MONOGRAFIE

Panzacchi M., Genovesi P., Loy A. (a cura di) 2011. *Piano d'azione per la conservazione della lontra*. Ministero per la Tutela dell'Ambiente, del Territorio e del Mare e ISPRA.

CAPITOLI DI LIBRI

- Loy A. 2018. Mustelid morphology. In: *Encyclopedia of Animal Cognition and Behavior*. Vonk J., Shackelford T. (Eds). Springer doi:10.1007/978-3-319-47829-6_1210-1
- Barile M., De Castro G., Reggiani G., De Lisio L., Buffagni A. & A. Loy 2013. *Lontra (Lutra lutra) e habitat fluviali: potenzialità del metodo CARAVAGGIO in affiancamento al Metodo Standard di monitoraggio per la caratterizzazione delle stazioni di presenza della specie*. In: xxx
- Carone, M.T., Simoniello, T., Loy, A., Carranza, M.L., 2012. Combining Habitat Suitability Models and Fluvial Functionality Data for a Multilayer Assessment of Riverine Vulnerability. In: Jordán, F., Jørgensen, S.E. (Eds), *Models of the Ecological Hierarchy: From Molecules to the Ecosphere*.

Barile M.C., De Castro G., Reggiani G., De Lisio A., Buffagni A., Loy A. 2011. La Lontra (*Lutra lutra*) e gli habitat fluviali: potenzialità del metodo CARAVAGGIO in affiancamento al Metodo Standard di monitoraggio per la caratterizzazione delle stazioni di presenza della specie. In: D'Antoni S., Battisti C., Cenni M. E., Rossi G.L. (a cura di), 2011 – CONTRIBUTI PER LA TUTELA DELLA BIODIVERSITÀ DELLE ZONE UMIDE. Rapporti ISPRA 153/11 pp 247-252.

Loy A. 2008. *Talpa romana*. Famiglia Talpidae. In: Amori G., Contoli L., Nappi A. (a cura di). Mammalia II. Erinaceomorpha, Soricomorpha, Lagomorpha, Rodentia. Ed. Fauna d'Italia. Vol. XLIV. Ed. Calderini de Il Sole 24 Ore, Milano. Pp 113-121.

Loy A. 2008. *Talpa europaea*. In: Amori G., Contoli L., Nappi A. (a cura di). Mammalia II. Erinaceomorpha, Soricomorpha, Lagomorpha, Rodentia. Ed. Fauna d'Italia. Vol. XLIV. Ed. Calderini de Il Sole 24 Ore, Milano. Pp 106-112.

Loy A. 2008. *Talpa caeca*. In: Amori G., Contoli L., Nappi A. (a cura di). Mammalia II. Erinaceomorpha, Soricomorpha, Lagomorpha, Rodentia. Ed. Fauna d'Italia. Vol. XLIV. Ed. Calderini de Il Sole 24 Ore, Milano. Pp 101-106.

Reggiani G., Loy A. 2006. Sulle tracce della lontra. In: Fraissinet M. e Petretti F. (a cura di) "Salvati dall'arca." WWF Italia Ong - Onlus. Alberto Perdisa Editore, pp. 83-106.

Loy A., Bucci L. 2001. Un nuovo censimento della lontra in Molise: primi dati dalla provincia di Isernia. III Convegno SMAMP "La lontra in Italia: distribuzione, censimenti e tutela". Montella, 30 Novembre – 2 Dicembre 2001. Dryocopus IV (1): 30.

Loy A., A. Racana 1986. La lontra in Basilicata. In: La lontra in Italia - Censimento, distribuzione e problemi di conservazione di una specie minacciata. (F. Cassola ed.) WWF Italia, serie Atti e Studi N.5: 110-113.

Reggiani G., A. Loy 1986. La lontra nel Lago di Burano. In: La lontra in Italia - Censimento, distribuzione e problemi di conservazione di una specie minacciata. (F. Cassola ed.) WWF Italia, Serie Atti e Studi N.5: 68-73

ATTIVITA' EDITORIALE SCIENTIFICA

Loy A., Ciucci P. (Eds) (in press) Carnivores. In: Zachos F., Hackländer K. (Eds). Handbook of the Mammals of Europe" (<http://www.springer.com/series/15198>).

Gutleb, A.C., Roos, A., Duplaix, N., Loy, A., Prigioni, C. 2011. Proceedings XI. International Otter Colloquium, 2011, Pavia, Italy, IUCN OSG Bull. 28B

Loy A., Corti M., Adams D. C., Slice D. E., Rohlf. F.J. (invited Eds) 2004. Proceedings of the Rome geometric morphometric workshop. Homage to Leslie F. Marcus, Museo Civico di Zoologia, Roma 14-18 gennaio 2002. Italian Journal of Zoology, 71(1), 88 pp.

Marcus L. F., M. Corti, A. Loy, G. Naylor, D. Slice (Eds). 1996. Advances in morphometrics. Plenum Press, New York. 587 pp.

RAPPORTI E RELAZIONI TECNICHE

1. Loy A., Russo F. L., Di Febbraro M. 2018 Risultati delle indagini sulle comunità di mesocarnivori nelle aree protette italiane: distribuzione e stato di conservazione della puzzola europea *Mustela putorius* in Italia. Rapporto intermedio — Accordo di Ricerca tra il Dipartimento Bioscienze e Territorio dell'Università del Molise e il Parco Nazionale Del Cilento, Vallo di Diano e Alburni '.
2. A. Loy, Di Febbraro M., Fabrizio M. 2017. Indagini sul rischio di investimento della lontra Euroasiatica *Lutra lutra* e pianificazione di uno studio sull'ecologia comportamentale nel Parco Nazionale del Cilento e Vallo di Diano. Rapporto intermedio — Accordo di Ricerca tra il

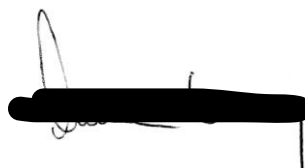
Dipartimento Bioscienze e Territorio dell'Università del Molise e il Parco Nazionale Del Cilento, Vallo di Diano e Alburni.

3. Loy A., Lerone L., Capula M., Carranza M.L., Carlini N., D'Alessandro E., Imperi F., Martorelli E., Onesto A.M., Rizzo A. 2013. Indagini su gatto selvatico, lontra, visone americano, nutria e erpetofauna finalizzate al piano di gestione dei Siti di Interesse Comunitario del IT7110205 e IT7120132 ricadenti nei confini del Parco Nazionale d'Abruzzo, Lazio e Molise. Rapporto finale . Accordo di Ricerca tra il Dipartimento Bioscienze e Territorio dell'Università del Molise e il Parco Nazionale d'Abruzzo, Lazio e Molise.
4. Loy A., D'Alessandro E., Imperi F., Lerone L., Capula M. 2013. Mammiferi semiacquatici, erpetofauna, batracofauna e habitat di interesse comunitario del SIC IT7140214 - Gole di Pennadomo e Torricella Peligna. Accordo di ricerca tra Università del Molise e Comune di Pennadomo (CH) per la redazione del Piano del SIC IT7140214 "Gole di Pennadomo e Torricella Peligna" . 2 Rapporto tecnico.
5. Loy A., Lerone L., Capula M., Carlini N., Imperi F., Martorelli E., Onesto A.M. 2013. Indagini su gatto selvatico, lontra, visone americano, anfibi e rettili finalizzate al piano di gestione dei Siti di Interesse Comunitario del IT7110205 e IT7120132 ricadenti nei confini del Parco Nazionale d'Abruzzo, Lazio e Molise. Rapporto intermedio - Accordo di Ricerca tra il Dipartimento Bioscienze e Territorio dell'Università del Molise e il Parco Nazionale d'Abruzzo, Lazio e Molise
6. Loy A., M. L. Carranza, G. Ciccorelli, L. De Lisio, F. Iannotta, D. De Rosa, D. Marino , M. Ottaviano, G. Pelino, A. Stanisci 2011. LIFE08 NAT/IT/ 000324 DINAMO D.8.S. – Rapporto finale sul Monitoraggio Scientifico - Scientific Monitoring Report 3
7. Iorizzi M., Fortini P., Loy A. 2010. Osservatorio della Biodiversità nell'area del Parco e Preparco PNALM. 2 Rapporto tecnico. Accordo di Ricerca tra il Dipartimento Bioscienze e Territorio dell'Università del Molise e il Comune di Colli al Volturno (IS).
8. Loy A., Bonesi L., Carranza M.L., Celico F., Cianfrani C., Cimino F., D'Alessandro E., Di Marzio P., Di Martino P., Minotti M., Reggiani G. 2008. Rete ecologica per la lontra - Fase 1. Rapporto finale. Dipartimento Scienze e Tecnologie per l'Ambiente Università del Molise e il Territorio e Ministero della Tutela del Territorio e del Mare.
9. Loy A., Barile M.C., Carranza M.L., De Lisio L., De Castro G., Presti G., Roskopf C., Stanisci A., Tonti D. 2006. Studi di base finalizzati alla gestione e alla valorizzazione ambientale delle aree protette inserite nella rete Natura 2000 ricadenti nel territorio dell'Alto Molise. Relazione tecnica. Dip. STAT e Consorzio Alto Molise Sviluppo. Pesche, 29 Aprile 2006.
10. Loy A. 2006. Distribuzione potenziale della fauna vertebrata segnalata nei siti proposti SIC della regione Molise. Accordo di Ricerca Università del Molise e Comunità Montana Alto Molise. Secondo rapporto intermedio. Luglio 2006.

Autorizzo il trattamento dei dati personali ai sensi della Legge 196/03.

Pesche, 30 Gennaio 2020

Anna Loy



**EUROPEAN
CURRICULUM VITAE
FORMAT**

PERSONAL INFORMATION

Name **SAZZINI MARCO**
Address [REDACTED]
Telephone [REDACTED]
E-mail **marco.sazzini2@unibo.it**

Nationality Italian
Date of birth [REDACTED]

EDUCATION & TRAINING

Date **10/9/2013**
Institution University of Bologna, Dept. of Statistical Sciences
Skills covered Attendance at the Workshop "Anthropology and Statistical Sciences"

Date **15/7/2013 - 17/7/2013**
Institution LANGELIN Project Consortium (FP7 Ideas, ERC 2011, AdG 295733)
Skills covered Attendance at the International Workshop "Advances in Phylogenetic Linguistics"

Date **11/5/2012**
Institution University of Bologna, Dept. of Experimental, Diagnostic and Specialty Medicine
Skills covered Attendance at the International Workshop "Next Generation Sequencing: New goals for diagnostic and personalized therapies of leukemia"

Date **7/2/2011 - 11/2/2011**
Institution University of Bologna, 9th Bologna Biocomputing Winter School
Skills covered Attendance at the International Course "Deep Sequencing Analysis Data: A challenge for personalized medicine"

Date **13/6/2010 - 18/6/2010**
Institution University of Milano
Skills covered Attendance at the International Bioinformatics Course "Computational Statistics for Genome Biology"

Date **20/9/2010 - 21/9/2010**
Institution University of Verona, Dept. of Biotechnology
Skills covered Attendance at the International Bioinformatics Workshop "Next-generation Sequencing for Biomedical Omics: Tools and Challenges"

Date **17/5/2010 - 19/5/2010**
Institution European School of Genetic Medicine
Skills covered Attendance at the International Course "Course in Genomic and Cultural Evolution of Humans"

Date **18/10/2009 - 22/10/2009**
Institution European School of Genetic Medicine
Skills covered Attendance at the International Course "The integration of cytogenetics, microarrays and massive sequencing in biomedical and clinical research"

Date	11/2/2008 - 15/2/2008
Institution	University of Bologna, 8 th Bologna Biocomputing Winter School
Skills covered	Attendance at the International Course "Grand Challenges in Computational Biology: New developments for solving the unsolved problems of Computational Biology"
Date	1/4/2008 - 31/8/2008
Institution	Pompeu Fabra University, Barcelona Biomedical Research Park, Evolutionary Biology Unit
Skills covered	Attendance at the Lifelong Learning Programme Formative Traineeship "Bioinformatics tools for evolutionary genetics analyses"
Evaluation	Excellent
Date	13/2/2006 - 17/2/2006
Institution	University of Bologna, 7 th Bologna Biocomputing Winter School
Skills covered	Attendance at the International Course "Applied bioinformatics: the test case of the Human Genome"
Date	1/1/2006 - 31/12/2008
Institution	University of Bologna, PhD School in Biological, Biomedical & Biotechnological Sciences
Skills covered	PhD program in Biodiversity & Evolution ; thesis project " <i>TNFRSF13B</i> genetic variability: an anthropological-evolutionary approach to biomedical research"
Qualification awarded	PhD
Evaluation	Excellent
Date	2006
Institution	University of Bologna
Qualification awarded	Qualification to practice the profession of biologist
Date	2005
Institution	University of Bologna, Faculty of Mathematic, Physic & Natural Sciences
Skills covered	Five-year degree course in Biological Sciences
Qualification awarded	Degree in Biological Sciences
Evaluation	110/110, Magna cum Laude

POSITION & RESEARCH ACTIVITY

Date	8/1/2019 - present
Institution	University of Bologna, Dept. of Biological, Geological and Environmental Sciences (BiGeA)
Position	Associate Professor of Biological Anthropology (SSD BIO/08)
Date	1/9/2018 - present
Institution	University of Bologna, Dept. of Biological, Geological and Environmental Sciences (BiGeA)
Position	Head of the Molecular Anthropology Lab and of the Centre for Genome Biology
Date	27/7/2018 - 27/7/2024
Institution	Italian Ministry of Education, University and Research
Qualification awarded	Eligibility as Full Professor of Biological Anthropology (SSD BIO/08)
Date	20/10/2016 - present
Institution	University of Bologna, Dept. of Biological, Geological and Environmental Sciences (BiGeA)
Position	In charge of the "Natural selection and human adaptability" and "Evolutionary Medicine" research lines of the Evolutionary Anthropology research group
Date	8/1/2016 - 7/1/2019
Institution	University of Bologna, Dept. of Biological, Geological and Environmental Sciences (BiGeA) Laboratory of Molecular Anthropology, Centre for Genome Biology
Position	Fixed-term Senior Assistant Professor of Biological Anthropology (RTDb - SSD BIO/08)
Research topic	Anthropological-evolutionary aspects related to genomic and phenotypic variability of human populations

Date	1/8/2013 - 7/1/2016
Institution	University of Bologna, Dept. of Biological, Geological and Environmental Sciences (BiGeA) Laboratory of Molecular Anthropology, Centre for Genome Biology
Position	Fixed-term Researcher in Biological Anthropology (RTDa - SSD BIO/08)
Research topic	Genomic variability, selective pressures and adaptation in human populations
Date	1/11/2011 - 31/7/2013
Institution	University of Bologna, Dept. of Experimental Evolutionary Biology (from 1/10/2012 Dept. BiGeA) Laboratory of Molecular Anthropology
Position	Senior Research Fellow
Research topic	Optimization of Next Generation Sequencing data analysis methodologies: towards the application of massive parallel sequencing to the whole human genome
Date	1/11/2009 - 31/10/2011
Institution	University of Bologna, Dept. of Experimental Evolutionary Biology Laboratory of Molecular Anthropology
Position	Junior Research Fellow
Research topic	Application of Next Generation Sequencing Technologies to the study of human genome variability

Research interests Since 2006 M.S. has carried out research activities in the field of **Molecular Anthropology** and focused on the study of **human biodiversity** from a **genetics/genomics perspective**. For this purpose, he has applied traditional and innovative molecular approaches, such as **high-throughput genotyping** and **massive parallel sequencing**, to investigate patterns of **genetic variability of human populations** with two main aims:

- To investigate the evolutionary history of **genomic regions** plausibly **involved in processes of human adaptation and/or of biomedical interest** to detect signatures ascribable to the action of **natural selection** on the human genome. Such an approach aims at **combining** the theoretical and methodological frameworks proper of **Molecular Anthropology** to the hypotheses conceived by the emerging field of **Evolutionary Medicine**, in order to pinpoint the potential **maladaptive processes** underlying increased disease susceptibility of certain human populations. This approach is expected to substantially contribute to shed lights on the **genetic bases of human adaptability** and its crucial **biomedical implications**.
- To implement **population genetics and genomics methods** into a Molecular Anthropology perspective in order to depict broad and fine-scale **genetic structure of human populations** and to reconstruct their **genetic history** for dissecting the **biological and cultural processes** that have driven their recent evolution.

Research expertise

During his research activity M.S. has acquired specific expertise on:

- **Projects conception and implementation**, establishment and management of consortia of scientific and technological partners;
- **Design of DNA sampling strategies** and implementation of **fieldwork** procedures for **collecting biological samples** within the framework of Molecular Anthropology studies;
- **Data collection** on **phenotypic, socio-demographic** and **ethnicity** information, as well as on information about human health and nutritional status, to be correlated with biological and genetic/genomic data;
- Fine tuning of procedures for DNA extraction, quantification, **high-throughput genotyping** and **massive parallel sequencing**;
- Application of biostatistics and bioinformatics methods for **population genetics/genomics data analyses**.

<u>Research projects</u>	During his research activity M.S. has contributed to devise and manage several national and international projects:
Role	Principal Investigator
Project	<i>Genetic adaptation and acclimatization to high altitude as experimental models to investigate the biological mechanisms that regulate physiological responses to hypoxia</i>
Funding scheme	Fondazione CARISBO, 2020 Grant n. 2019.0552
Role	Principal Investigator
Project	<i>Inferring genetic adaptations to local environments in Mexican populations and identifying potential dis-adaptive loci predisposing them to chronic complex diseases</i>
Funding scheme	Mexican Consejo Nacional de Ciencia y Tecnología 2018-2019, CVU n. 576352
Role	Coordinator of the Dept. BiGeA unit
Project	<i>Next-generation sequencing in the evaluation of the genetic profile associated to pulmonary hypertension</i>
Funding scheme	Fondazione CARISBO, 2016 (PI: Prof. N. Galiè, University of Bologna)
Role	Principal Investigator
Project	<i>Unravelling the combined effects of demography and natural selection in shaping the genomic background of Southern Himalayan populations</i>
Funding scheme	MIUR grant for the PhD program in Earth, Life and Environmental Sciences, 2014
Role	Scientific manager for the University of Bologna unit
Project	<i>LANGELIN - Meeting Darwin's last challenge: toward a global tree of human languages & genes</i>
Funding scheme	FP7 Ideas, ERC 2011, AdG 295733 (PI: Prof. G. Longobardi, University of York)
Role	In charge of <i>in silico</i> and genotyping/NGS analyses for the University of Bologna unit
Project	<i>EPIC - Biological and cultural heritage of the Central-Southern Italian population trough 30 thousand years</i>
Funding scheme	PRIN 2010-2011 (PI: Prof. O. Rickards, University of Rome "Tor Vergata")
Role	In charge of DNA sampling and statistical analyses
Project	<i>Geno2.0 - A Mediterranean melting pot. Excavating human genetic strata in Sicily and Southern Italy</i>
Funding scheme	National Geographic Award, 2013, GA Geno4-13 (PI: Prof. D. Pettener, University of Bologna)
Role	Project manager for the Coordinator unit
Project	<i>NGS-PTL - Next Generation Sequencing platform for targeted Personalized Therapy of Leukemia</i>
Funding scheme	FP7 Cooperation, 2012, GA 306242 (PI: Prof. G. Martinelli, University of Bologna)
Role	In charge of DNA sampling and statistical analyses for the University of Bologna unit
Project	<i>PsA GWAS - A genome-wide association study of Psoriatic Arthritis in the Italian population</i>
Funding scheme	Pfizer International, 2011 (PI: Dr. C. Salvarani, Arcispedale S.M. Nuova, IRCCS, Reggio Emilia)
Role	Scientific manager
Project	<i>Taste Genetic Geography: a pilot study on the Emilia Romagna population</i>
Funding scheme	Fondazione del Monte, 2011 (PI: Prof. D. Luiselli, University of Bologna)
Role	In charge of DNA sampling and statistical analyses
Project	<i>Genographic Italia</i>
Funding scheme	National Geographic & IBM Award, 2011 (PI: Prof. D. Pettener, University of Bologna)
Role	In charge of DNA sampling and sequencing analyses for the University of Bologna unit
Project	<i>Isolating the isolates: analysis of geographical and cultural factors influencing human genetic variability</i>
Funding scheme	PRIN 2007 (PI: Prof. D. Pettener, University of Bologna)

Research collaborations

During his research activity M.S. has established several national and international collaborations:

- **University of Chicago** (US): Di Rienzo Lab - Dept. of Human Genetics (Prof. A. Di Rienzo)
- **Case Western Reserve University** (Cleveland, US): Dept. of Anthropology (Prof. C.M. Beall)
- **FISABIO-SP** (Valencia, ES): Dept. of Genomics and Health (Dr. G. D'Auria)
- **Max Planck Institute for the Science of Human History** (Jena, DE): Dept. of Archaeogenetics & Eurasia3angle research group (Dr. C. Jeong)
- **Pompeu Fabra University** (Barcelona, ES): Institut de Biologia Evolutiva (Prof. F. Calafell)
- **St. Jude Children's Research Hospital** (Memphis, US): Dept. of Pathology (Dr. I. Iacobucci)
- **Ronin Institute for Independent Scholarship** (Montclair, US): Dr. J. Rose
- **Italian Institute of Human Paleontology** (Rome, IT) (Dr. L. Natali)
- **Italian Auxologic Institute** (Milano, IT): Centre for Biomedical Research and Technologies (Prof. A.M. Di Blasio)
- **University of Pavia** (IT) Medical & Genomic Statistics Unit - Dept. of Brain & Behavioral Sciences (Dr. D. Gentilini)
- **Arcispedale S. M. Nuova, IRCCS** (Reggio Emilia, IT): Rheumatology Unit (Prof. C. Salvarani)

Scientific memberships

Italian Anthropological Association (AAI)

International Society for Evolution, Medicine & Public Health (ISEMPH)

Referee activity for

European Research Council

Scientific Reports; American Journal of Physical Anthropology; Genes; Plos One; BMC Genetics; Annals of Human Biology; BMC Biology; Human Genetics; Molecular Biology and Evolution

INSTITUTIONAL ACTIVITY

Date	2019 - present
Institution	University of Bologna, Dept. of Biological, Geological and Environmental Sciences (BiGeA)
Role	Director of First Cycle Degree of Biological Sciences
Date	2019 - present
Institution	University of Bologna, Dept. of Biological, Geological and Environmental Sciences (BiGeA)
Role	Member of the BiGeA Teaching Board
Date	2019
Institution	University of Bologna, Dept. of Biological, Geological and Environmental Sciences (BiGeA)
Role	Scientific Manager for the "Tenj Rau Tau Expedition" aimed at collecting DNA and biological samples from high-altitude Himalayan populations
Date	2018 - 2019
Institution	University of Bologna, Dept. of Biological, Geological and Environmental Sciences (BiGeA)
Role	Member of the Professors/Students Joint Committee of the BiGeA department
Date	2017
Institution	University of Bologna, Dept. of Biological, Geological and Environmental Sciences (BiGeA)
Role	Scientific Manager for the "Jobo Garu Expedition" aimed at collecting DNA and biological samples from high-altitude Himalayan populations
Date	2016 - 2020
Institution	European Research Council
Role	Remote referee for the evaluation of proposals for ERC Grants

Date	2016 - present
Institution	University of Bologna, Dept. of Biological, Geological and Environmental Sciences (BiGeA)
Role	Member of the Scientific Board of the BiGeA library
Date	2016
Institution	University of Bologna, Dept. of Biological, Geological and Environmental Sciences (BiGeA)
Role	Organizer of the conference "Extreme Human Populations from the Arctic to the Himalayas"
Date	2015 - 2018
Institution	University of Bologna, Dept. of Biological, Geological and Environmental Sciences (BiGeA)
Role	Member of the BiGeA Research Board
Date	2015
Institution	University of Bologna, Dept. of Biological, Geological and Environmental Sciences (BiGeA)
Role	Scientific Manager for the "Extreme Malangur Expedition" aimed at collecting DNA and biological samples from East Asian and South Asian populations speaking Tibeto-Burman languages
Date	2015
Institution	Italian Anthropological Association (AAI) and University of Bologna, Dept. BiGeA
Role	Organizing Secretary for the XXI AAI Congress "Towards a Next-Generation Anthropology: challenges & synergies"
Date	2013
Institution	LANGELIN Project Consortium (FP7 Ideas, ERC 2011, AdG 295733)
Role	Organizing Secretary for the International Workshop "Population Genomics: sampling strategies in the Next Generation Sequencing era"
Date	2011 - 2012
Institution	University of Bologna, Dept. BiGeA and Dept. of Experimental, Diagnostic & Specialty Medicine
Role	Organizing Secretary for the cycle of seminars "Next-Generation Sequencing Meetings"
Date	2010 - present
Institution	University of Bologna
Role	Coordinator of the cycles of lessons and laboratory activities for the "Molecular Anthropology" course within the framework of the MIUR National Plan for Scientific Degrees (PLS)
Date	2008
Institution	University of Bologna, Dept. of Experimental Evolutionary Biology
Role	Member of the organizing committee for the International Conference "1908-2008: 100 years of Anthropology in Bologna, new research perspectives"

TEACHING ACTIVITY

Date	AY 2018/2019 - present
Institution	University of Bologna
Courses	<ul style="list-style-type: none"> • Human Adaptive Interactions to Changing Environments (Master's Degree in Sciences and Management of Nature, International Curriculum in Global Change Ecology and Sustainable Development Goals) • Evolutionary Medicine (module within the course: Applied Molecular Anthropology, Master's Degree in Health Biology) • Laboratory Procedures for DNA analyses (module within the course: Human Biology, Bachelor Degree in Biological Sciences)
Date	AY 2014/2015 - present
Institution	University of Bologna
Courses	<ul style="list-style-type: none"> • Human Populations Biology (Master's Degree in Biodiversity and Evolution) • Genomic approaches to investigate populations' adaptation in response to selective pressures (PhD Course in Earth, Life and Environmental Sciences)

Date	AY 2013/2014 - AY 2017-2018
Institution	University of Bologna
Course	Use of R in Anthropological Genetics (module within the course: Molecular Anthropology and Human Biodiversity, Master's Degree in Bioinformatics)
Date	AY 2012/2013
Institution	University of Bologna
Course	Molecular Anthropology and Human Biodiversity (Master's Degree in Bioinformatics)
Contract	Tutoring contract for a cycle of lessons
Date	AY 2011/2012
Institution	University of Bologna
Courses	<ul style="list-style-type: none"> • Laboratory of Bioinformatics applied to Evolutionary Biology (Master's Degree in Biodiversity and Evolution) • Genetic Anthropology (Master's Degree in Biodiversity and Evolution) • Anthropology (Master's Degree in Natural Sciences) • Use of R in Anthropological Genetics (within the course: Molecular Anthropology and Human Biodiversity, Master's Degree in Bioinformatics)
Contract	Tutoring contracts for cycles of lessons and laboratory activities
Date	AY 2010/2011
Institution	University of Bologna
Courses	<ul style="list-style-type: none"> • Genetic Anthropology II (Master's Degree in Health Biology) • Laboratory of Health Biology II (Bachelor Degree in Biological Sciences)
Contract	Tutoring contracts for cycles of lessons and laboratory activities
Date	AY 2010/2011
Institution	University of Bologna
Course	Bioinformatics for Medical Genetics (module within the course: Human Biodiversity, Master's Degree in Bioinformatics)
Contract	Contract Professor
Date	AY 2009/2010 - AY 2013/2014
Institution	University of Bologna
Course	Molecular Anthropology (within the activities of MIUR National Plan for Scientific Degrees, PLS)
Contract	Tutoring contracts for a cycle of lessons and laboratory activities

Supervised students

During his teaching and research activity M.S. was **supervisor** of the following PhD, Master and Bachelor students:

- N. Castellani, **Master's thesis** "New evidence of adaptive introgression from Denisovan to Tibetan and sherpa genomes" (AY 2018-2019, Master's Degree in Biodiversity and Evolution)
- A. Shahpari, **Master's thesis** "Inferring archaic introgression using modern and ancient whole genome sequence data" (AY 2018/2019, Master's Degree in Bioinformatics)
- M. Mazzoni, **Master's thesis** "Analysis of the 8p23.1 inversion polymorphism in worldwide human populations" (AY 2018/2019, Master's Degree in Bioinformatics)
- S. Magazzino, **Bachelor's thesis** "Imputation of genetic variants from a genome-wide dataset of Andean high-altitude populations" (AY 2018/2019, Bachelor's Degree in Biological Sciences)
- G.A. Gnechi Ruscone, **PhD thesis** "Unraveling the combined effects of demography and natural selection in shaping the genomic background of Southern Himalayan populations" (PhD Course in Earth, Life and Environmental Sciences, XXX cycle, 2014-2017)
- M. Ragno, **Master's thesis** "Genomic signature of adaptive evolution in the Italian population" (AY 2017-2018, Master's Degree in Biodiversity and Evolution)

- L. Gianvincenzo, **Master's thesis** "Isolating the Native American ancestry components in the genomes of Andean and Amazonian ethnic groups" (AY 2016/2017, Master's Degree in Biodiversity and Evolution)
- A. Landini, **Master's thesis** "Inferring the adaptive evolution of Asian populations in response to rice-based diets" (AY 2016/2017, Master's Degree in Biodiversity and Evolution)
- P. Abondio, **Master's thesis** "Dissecting the Italian genomic landscape via whole genome sequencing" (AY 2016/2017, Master's Degree in Bioinformatics)
- E. Matteucci, **Bachelor's thesis** "TaqMan genotyping of SNPs subjected to natural selection in a sample of individuals affected by inflammatory bowel disease" (AY 2015/2016, Bachelor's Degree in Biological Sciences)
- C. Sofia, **Bachelor's thesis** "Sequenom high-throughput genotyping of human DNA samples" (AY 2014/2015, Bachelor's Degree in Biological Sciences)
- S. Yu, **Master's thesis** "A bioinformatics pipeline to investigate the genetic bases of human adaptation to rice consumption" (AY 2014/2015, Master's Degree in Bioinformatics)
- V. Sartori, **Master's thesis** "Exploring recent evolutionary history of genes involved in inflammatory bowel disease and the related implications for its etiology" (AY 2014/2015, Master's Degree in Biodiversity and Evolution)
- M. Trancucci, **Master's thesis** "Reconstructing the genetic history and structure of Himalayan populations from the Gaurishankar region (Nepal)" (AY 2014/2015, Master's Degree in Biodiversity and Evolution).
- S. Armuzzi, **Bachelor's thesis** "Construction of human genomic DNA libraries: comparison between the AmpliSeq protocol and that based on physical fragmentation" (AY 2014/2015, Bachelor's Degree in Biological Sciences);
- E. Musmeci, **Bachelor's thesis** "Setting up protocols for the construction of ancient mtDNA libraries for Ion PGM massive parallel sequencing" (AY 2014/2015, Bachelor's Degree in Biological Sciences);

During his teaching and research activity M.S. was **assistant supervisor** of the following PhD, Master and Bachelor students:

- A. Quagliarello, **PhD thesis** "Characterization of variability patterns of genes involved in nutrition and thermoregulation in modern populations from Central-Southern Italy" (PhD in Biodiversity and Evolution, XXIII cycle, 2013-2016)
- S. De Fanti, **PhD thesis** "Evolutionary genetics of lactase persistence in Eurasian human populations" (PhD in Biodiversity and Evolution, XXVI cycle, 2011-2013)
- A. Zanotti, **Bachelor's thesis** "Mitochondrial DNA library construction for NGS platform" (AY 2012/2013, Bachelor's Degree in Biological Sciences)
- A. Cherubini, **Master's thesis** "Variability analysis of CXCL9, CXCL10, CXCL11, CXCR3 genes in gluten sensitivity by means of an NGS approach" (AY 2012/2013, Master's Degree in Biodiversity and Evolution)
- A. Palladini, **Master's thesis** "Sweet, bitter and fat differential perception in human populations: an explorative study of worldwide taste genetic variation" (AY 2011/2012, Master's Degree in Biodiversity and Evolution)
- G. Schiavo, **Master's thesis** "Comparisons between archaic hominins and modern humans for genes involved in brown adipose tissue" (AY 2010/2011, Master's Degree in Bioinformatics)
- F. Frazzoni, **Master's thesis** "Evolutionary genetics of lactase persistence in Italy" (AY 2011/2012, Master's Degree in Health Biology)
- G. Mengozzi, **Bachelor's thesis** "Analysis of genetic variability of 39 SNPs in a 3.2 Mb region on chromosome 2 in the Italian population (AY 2011/2012, Bachelor's Degree in Biological Sciences)

- V. Esposito, **Bachelor's thesis** "Analysis of genetic variability of 15 loci microsatellite loci in the Arsita population (AY 2011/2012, Bachelor's Degree in Biological Sciences)
- A. Cherubini, **Bachelor's thesis** "Analysis of genetic variability of 19 SNPs in the LCT gene in a population from North-Eastern Italy" (AY 2010/2011, Bachelor's Degree in Biological Sciences)
- S. De Fanti, **Master's thesis** "A genetic association study of IL-23A, IL-23R, IL-17A and IL-17RA polymorphisms with Psoriatic Arthritis in Italian population" (AY 2009/2010, Master's Degree in Health Biology)
- T. Lazzano, **Master's thesis** "Analysis of genetic variability of the coding region of mitochondrial genome in Behcet syndrome (AY 2009/2010, Master's Degree in Health Biology)
- R. Lanzellotto, **Master's thesis** "Genetic variability of 4 VDR polymorphisms in Masai from Kenya" (AY 2008/2009, Master's Degree in Health Biology)
- L. Ghezzi, **Bachelor's thesis** "Haptoglobin and malaria in the Po valley" (AY 2006/2007, Bachelor's Degree in Biological Sciences)
- T. Flor, **Master's thesis** "Analysis of genetic variability of vitamin D receptor (VDR) in populations from the Lake Turkana region (Kenya) (AY 2005/2006, Master's Degree in Health Biology)

GRANTS & ACKNOWLEDGMENTS

Date Grant	2020 PI of the project "Genetic adaptation and acclimatization to high altitude as experimental models to investigate the biological mechanisms that regulate physiological responses to hypoxia" funded by Fondazione CARISBO (20,000 €)
Date Grant	2018 PI of the project "Inferring genetic adaptations to local environments in Mexican populations and identifying potential dis-adaptive loci predisposing them to chronic complex diseases" funded by the Mexican Consejo Nacional de Ciencia y Tecnología to hire a post-doc (24,715 USD)
Date Acknowledgment	2018 The publication "Evidence of polygenic adaptation to high altitude from Tibetan and Sherpa genomes" by Gneccchi-Ruscione et al. [Genom Biol Evol 2018; 10(11):2919-2930], of which M.S. was the senior author, was awarded among top 10% of all research outputs ever tracked by Altmetric*.
Date Acknowledgment	2017 The contribution "Adapting to the high-altitude environment: a metagenomics perspective" by Quagliariello et al. and co-authored by M.S. was awarded as the best poster at the XXII AAI Congress (6-8/9/2017, Rome, IT).
Date Grant	2016 Coordinator of BiGeA unit in the project "Next-generation sequencing in the evaluation of genetic profile associated to pulmonary hypertension" funded by Fondazione CARISBO (25,000 €).
Date Acknowledgment	2016 The publication "Ancient pathogen-driven adaptation triggers increased susceptibility to Non-Celiac Wheat Sensitivity in present-day European populations" by Sazzini et al. [Genes Nutr 2016; 11:15] was awarded among the top 3 most read 2016 Genes & Nutrition articles and among top 5% of all research outputs ever tracked by Altmetric*.
Date Acknowledgment	2016 The publication "Positive selection of lactase persistence among people of Southern Arabia" by Bayoumi et al. [Am J Phys Anthropol 2016; 161(4):676-684], of which M.S. was the corresponding author, was awarded among top 10% of all research outputs ever tracked by Altmetric*.

Date Acknowledgment	2015 The contribution “Genomic ancestry of Southern Italy: insights into the complex admixture history and the recent cultural heritage” by Sarno et al. and co-authored by M.S. was awarded as the best poster at the XXI AAI Congress (3-5/9/2015, Bologna, IT).
Date Acknowledgment	2014 The publication “Searching for signatures of cold adaptations in modern and archaic humans: hints from the brown adipose tissue genes” by Sazzini et al. [Heredity 2014; 113(3):259-267] was awarded among top 10% of all research outputs ever tracked by Altmetric*.
Date Acknowledgment	2012 The publication “Polymorphic NumtS trace human population relationships” by Lang et al. [Hum Genet 2012; 131(5):757-771], of which M.S. was co-first author, was awarded among top 10% of all research outputs ever tracked by Altmetric*.
Date Grant	2008 Lifelong Learning Programme Formative Traineeship Grant (4,500 €) for the project “Bioinformatics tools for evolutionary genetics analyses” carried out at the Barcelona Biomedical Research Park, Evolutionary Biology Unit, Pompeu Fabra University (Barcelona, ES)
Date Acknowledgment	2005 “G. Nicoli & M. Bastia Prize” awarded by the Agricultural & Environmental Research Centre “G. Nicoli” for the best thesis of biological interest.

*Altmetric calculates a score based on the online attention an article receives.

PRESENTATIONS & POSTERS

(Underlined is the person who gave the talk)

- “Polygenic adaptation to high altitude: insights from Tibetan and Sherpa genomes” (**talk**). Gnecchi Ruscone G.A., Abondio P., Sarno S., De Fanti S., Sherpa M.G., Sherpa P.T., Marinelli G., Natali L., Di Marcello M., Peluzzi D., Luiselli D., Pettener D., **Sazzini M.** XIII Congress of the Italian Anthropological Association (4-6/9/2019, Padua, Italy).
- “Unravelling genetic adaptations of Mexican populations to their ancestral environments and the potential dis-adaptive loci influencing their present-day disease risk (**talk**). Ojeda-Granados C., Abondio P., Gnecchi Ruscone G.A., Sarno S., Boattini A., Luiselli D., Pettener D., Moreno-Estrada A., **Sazzini M.** XIII Congress of the Italian Anthropological Association (4-6/9/2019, Padua, Italy).
- “Testing novel candidate loci for adaptive introgression due to gene flow between Denisovans and the ancestors of modern East Asian populations” (**poster**). Castellani C., Shahpari A., Abondio P., Gnecchi-Ruscone G.A., Sarno S., Sherpa P.T., Marinelli G., Cocco P., Natali L., Di Marcello M., Peluzzi D., Pettener D., Luiselli D., **Sazzini M.** XIII Congress of the Italian Anthropological Association (4-6/9/2019, Padua, Italy).
- “Investigating Fatty Acid Gene Networks in Human Populations” (**poster**). Abondio P., De Giovanni A., Giuliani C., Sarno S., **Sazzini M.**, Luiselli D. XIII Congress of the Italian Anthropological Association (4-6/9/2019, Padua, Italy).
- “Dissecting the Pre-Columbian genomic ancestry and population history of South Americans along the Andes-Amazonia divide” (**poster**). Sarno S., Gnecchi Ruscone G.A., De Fanti S., Gianvincenzo L., Giuliani C., Boattini A., Bortolini E., Di Corcia T., Sanchez Mellado C., Dávila Francia T.J., Gentilini D., Di Blasio A.M., Di Cosimo P., Cilli E., Gonzalez-Martin A., Franceschi C., Franceschi Z.A., Rickards O., **Sazzini M.**, Luiselli D., Pettener D. XIII Congress of the Italian Anthropological Association (4-6/9/2019, Padua, Italy).
- “Demography and ancient/recent population dynamics shape the genetic architecture of human longevity” (**poster**). Giuliani C.*, **Sazzini M.***, Pirazzini C., Bacalini M.G., Marasco E., Gnecchi-Ruscone G.A., Fang F., Sarno S., Gentilini D., Di Blasio A.M., Crocco P., Passarino G., Mari D., Monti D., Nacmias B., Sorbi S., Salvarani C., Catanoso M., Pettener D., Luiselli D., Ukraintseva S., Yashin A., Franceschi C., Garagnani P. XV FISV Congress (18-21/9/2018, Rome, Italy). ***co-first authors**

- “Dissecting the Pre-Columbian legacy along the Andes-Amazonia divide” (**poster**). Gneccchi Ruscone G.A., Sarno S., De Fanti S., Giuliani C., Di Corcia T., Barbieri C., Di Cosimo P., Fujita R., Gonzalez Martin A., Franceschi Z.A., Rickards O., Luiselli D., **Sazzini M.** *, Pettener D. SMBE 2018 Congress (8-12/7/2018, Yokohama, Japan). ***corresponding author**
- “Inferring signatures of natural selection at fatty acids gene networks in ancient and modern populations” (**poster**). Abondio P., Giuliani C., Gneccchi Ruscone G.A., Sarno S., **Sazzini M.**, Luiselli D. Elixir-IIB Training Programme Workshop (21-27/4/2018, Naples, Italy).
- “Combined effects of demography and natural selection on the genomic structure of high-altitude Himalayan populations” (**talk**). Gneccchi Ruscone G.A., Jeong C., De Fanti S., Sarno S., Trancucci M., Abondio P., Sherpa M.G., Sherpa P.T., Natali L., Peluzzi D., Pettener D., Di Rienzo A., Luiselli D., **Sazzini M.** XXII Congress of the Italian Anthropological Association (6-8/9/2017, Rome, Italy).
- “Exploring the genomic ancestry and population history of South American ethnic groups along the Andes-Amazonia divide” (**talk**). Sarno S., Gneccchi Ruscone G.A., De Fanti S., Gianvincenzo L., Giuliani C., Di Corcia T., Sanchez Mellado C., Davila Francia T.J., Barbieri C., Sandoval J.R., Sevini F., Gentilini D., Di Blasio A.M., Di Cosimo P., Fujita R., Rangel-Villalobos H., Gonzalez-Martin A., Franceschi C., Franceschi Z.A., Rickards O., Luiselli D., **Sazzini M.**, Pettener D. XXII Congress of the Italian Anthropological Association (6-8/9/2017, Rome, Italy).
- “Adaptive evolution of Asian populations in response to rice-based diets” (**poster**). Landini A., Yu S., Gneccchi Ruscone G.A., Abondio P., De Fanti S., Sarno S., Bortolini E., Gentilini D., Di Blasio A.M., Luiselli D., Pettener D., **Sazzini M.** XXII Congress of the Italian Anthropological Association (6-8/9/2017, Rome, Italy).
- “Adapting to the high-altitude environment: a metagenomics perspective” (**poster**). Quagliariello A., Di Paola M., De Fanti S., Gneccchi-Ruscone G.A., Martinez-Priego L., Pérez-Villaroya D., Sherpa M.G., Sherpa P.T., Peluzzi D., Di Cosimo B.P., D’Auria G., Pettener D., **Sazzini M.**, De Filippo C., Luiselli D. XXII Congress of the Italian Anthropological Association (6-8/9/2017, Rome, Italy).
- “The Yaghnobi genetic legacy: a witness in the Central Asian history” (**talk**). Serventi P., Cilli E., De Fanti S., Sarno S., Gneccchi Ruscone G.A., **Sazzini M.**, Ferri G., Delaini P., Ognibene P., Gentilini D., Di Blasio A.M., Panaino A.D.C., Pettener D., Luiselli D., Gruppioni G. XXII Congress of the Italian Anthropological Association (6-8/9/2017, Rome, Italy).
- “Adaptive evolution of Asian populations in response to rice-based diets” (**poster**). Landini A., Yu S., Gneccchi Ruscone G.A., Abondio P., De Fanti S., Sarno S., Bortolini E., Gentilini D., Di Blasio A.M., Luiselli D., Pettener D., **Sazzini M.** VII Congress of the Italian Society for Evolutionary Biology - SIBE (28-31/8/2017, Rome, Italy).
- “Complex demography shaped the genomic landscape of Himalayan populations in addition to altitude-related selective pressures” (**poster**). Gneccchi Ruscone G.A., Abondio P., Jeong C., De Fanti S., Sarno S., Trancucci M., Sherpa M.G., Sherpa P.T., Natali L., Peluzzi D., Pettener D., Luiselli D., Di Rienzo A., **Sazzini M.** VII Congress of the Italian Society for Evolutionary Biology - SIBE (28-31/8/2017, Rome, Italy).
- “Identifying genomic adaptations to rice-based diets in Asian populations” (**talk**). Gneccchi Ruscone G.A., Yu S., Landini A., Abondio P., De Fanti S., Sarno S., Bortolini E., Gentilini D., Di Blasio A.M., Luiselli D., Pettener D., **Sazzini M.** III Annual Meeting of the International Society for Evolution, Medicine and Public Health (18-21/8/2017, Groningen, NL).
- “Insights into the genetic structure and population history of South America through the genome-wide characterization of Andean and Amazonian ethnic groups” (**poster**). Sarno S., Gneccchi Ruscone G.A., De Fanti S., Gianvincenzo L., Barbieri C., Sandoval J.R., Fujita R., Di Corcia T., Sanchez Mellado C., Davila Francia T.J., Rickards O., Sevini F., Giuliani C., Franceschi C., Franceschi Z.A., Rangel-Villalobos H., Gonzalez-Martin A., Di Cosimo P., Gentilini D., Di Blasio A. M., Luiselli D., **Sazzini M.**, Pettener D. XX Congreso de la Sociedad Española de Antropología Física - SEAF (12-14/7/2017, Barcelona, Spain).
- “Inferring a demographic model for Himalayan populations and fine mapping candidate loci involved in high-altitude adaptation” (**poster**). Gneccchi Ruscone G., Jeong C., De Fanti S., Sarno S., Sherpa M.G., Sherpa P.T., Peluzzi D., Pettener D., Di Rienzo A., Luiselli D., **Sazzini M.** EMBO Workshop: Population Genomics - background & tools. (18-26/5/2017, Naples, Italy).

- “Dissecting the role of demography and natural selection in shaping the genomic background of low- and high-altitude Nepali populations from the Gaurishankar region” (**talk**). Gnecchi Ruscone G., Jeong C., De Fanti S., Trancucci M., Gentilini D., Di Blasio A.M., Childs G., Craig S.R., Basnyat B., Sherpa M.G., Sherpa P.T., Marinelli G., Natali L., Peluzzi D., Beall C.M., Di Rienzo A., Pettener D., Luiselli D., **Sazzini M.** 6th DNA Polymorphisms in Human Populations - Human population genetics conference (7-10/12/2016, Paris, France).
- “Genomic ancestry of Southern Italy: insights into a complex history of admixture” (**flash talk**). Sarno S., Boattini A., Pagani L., **Sazzini M.**, De Fanti S., Quagliariello A., Gnecchi Ruscone G., Guichard E., Bortolini E., Barbieri C., Cilli E., Petrilli R., Mikerezi I., Sineo L., Vilar M., Wells S., Luiselli D., Pettener D. 6th DNA Polymorphisms in Human Populations - Human population genetics conference (7-10/12/2016, Paris, France).
- “Evolutionary medicine insights from the depiction of the Italian genomic landscape” (**talk**). **Sazzini M.**, Gnecchi Ruscone G.A., Giuliani C., Sarno S., Quagliariello A., De Fanti S., Boattini A., Gentilini D., Di Blasio A.M., Salvarani C., Franceschi C., Garagnani P., Pettener D., Luiselli D. XIV FISV Congress (20-23/9/2016, Rome, Italy).
- “DNA methylation diversity in human populations” (**talk**). Giuliani C., **Sazzini M.**, Bacalini M. G., Pirazzini C., Marasco E., Franceschi C., Garagnani P., Luiselli D. XIV FISV Congress (20-23/9/2016, Rome, Italy).
- “An ever-changing tapestry of genes and cultures: insights into the genomic ancestry of Sicily and Southern Italy” (**poster**). Sarno S., Boattini A., Pagani L., **Sazzini M.**, De Fanti S., Quagliariello A., Gnecchi Ruscone G., Guichard E., Bortolini E., Barbieri C., Cilli E., Petrilli R., Mikerezi I., Sineo L., Vilar M.G., Wells R.S., Luiselli D., Pettener D. XIV FISV Congress (20-23/9/2016, Rome, Italy).
- “Who likes to travel alone? Grammars and genes in the history of Old World migrations” (**talk**). Brunelli A., Sarno S., Longobardi G., Bartlett M., Ceolin A., Guardiano C., Irimia M.A., Kazakov D., Michelioudakis D., Radkevich N., Boattini A., Ghirotto S., **Sazzini M.**, Susca R.R., Tassi F., Luiselli D., Barbujani G., Pettener D. XIV FISV Congress (20-23/9/2016, Rome, Italy).
- “Exploring evolutionary causes of differential susceptibility to acute mountain sickness in Nepali populations from the Gaurishankar area” (**talk**). Gnecchi Ruscone G., Jeong C., De Fanti S., Trancucci M., Gentilini D., Di Blasio A.M., Childs G., Craig S.R., Basnyat B., Sherpa M.G., Sherpa P.T., Marinelli G., Natali L., Peluzzi D., Beall C.M., Di Rienzo A., Pettener D., Luiselli D., **Sazzini M.** II Annual Meeting of the International Society for Evolution, Medicine and Public Health (22-25/6/2016, Durham, NC, US).
- “WES and mutation analysis in 26 families reveal a new founder MYO15A frameshift duplication as the major cause of Genetic Hearing Loss in Oman” (**poster**). Palombo F., Pippucci T., Al-Wardy N., Oppo M., Al Kindi M., Angius A., Al Lamki K., Gnecchi Ruscone G.A., Giangregorio T., Benelli M., Cucca F., Magi A., Seri M., **Sazzini M.**, Al Khabori M., Romeo G. The European Human Genetics Conference 2016 (21-24/5/2016, Barcelona, Spain).
- “Genetic and epigenetic variability in human populations” (**invited talk**). **Sazzini M.** PhD Course in Biomedical and Oncological Sciences. University of Turin and Human Genetics Foundation (17/5/2016, Torino, Italy).
- “Extreme Human Populations from the Arctic to the Himalayas” (**talk**). **Sazzini M.**, Peluzzi D., Marinelli G., Natali L. Conference “Exploration, cooperation and scientific research in the Himalayas: Rolwaling, the hidden valley of the Sherpa people” (16/4/2016, Bologna, Italy).
- “A genome-wide association study of Psoriatic Arthritis in the Italian population” (**talk**). Catanoso M., Macchioni P., D'Angelo S., Marchesoni A., Ramonda R., Cauli A., Perrotta F.M., Bortolotti R., Provenzano G., Pistone G., Boito K., Garagnani P., Giuliani C., **Sazzini M.**, Gentilini D., Lofrano M., Rotunno L., Lorenzin M., Olivieri I., Mathieu A., Valesini G., Paolazzi G., Baricchi R., Di Blasio A.M., Pettener D., Luiselli D., Franceschi C., Boiardi L., Salvarani C. American College of Rheumatology Annual Meeting (6-11/11/2015, San Francisco, CA, USA).
- “Whole-exome sequencing and mutation analysis in 26 families reveals a new founder MYO15A frameshift duplication as the major cause of Genetic Hearing Loss in Oman” (**talk**). Pippucci T., Palombo F., Al-Wardy N., Crisponi L., Giangregorio T., **Sazzini M.**, Nasser Al Kindi M., Angius A., Benelli M., Cucca F., Magi A., Seri M., Luiselli D., Al Khabori M., Romeo G. XVIII Congress of the Italian Society of Human Genetics (21-24/10/2015, Rimini, Italy).

- “Paleolithic signatures from European glacial refugia revealed by mtDNA genomes” (**talk**). Barbieri C., De Fanti S., Sarno S., Sevini F., Vianello D., Tamm E., Metspalu E., van Oven M., **Sazzini M.**, Franceschi C., Pettener D., Luiselli D. 5th Annual ESHE Meeting (10-12/9/ 2015, London, UK).
- “DNA methylation variability along the Italian peninsula: an evolutionary perspective reveals implications for human health and diseases” (**talk**). Giuliani C., Pirazzini C., Bacalini M. G., **Sazzini M.**, Mari D., Passarino G., Franceschi C., Garagnani P., Luiselli D. XXI Congress of the Italian Anthropological Association (3-5/9/2015, Bologna & Ravenna, Italy).
- “Towards a deeper dissection of the Italian genomic landscape” (**talk**). **Sazzini M.**, Gneccchi Ruscone G.A., Giuliani C., Sarno S., Boattini A., Gentilini D., Fiorito G.D., Di Blasio A.M., Matullo G., Salvarani C., Franceschi C., Garagnani P., Pettener D., Luiselli D. XXI Congress of the Italian Anthropological Association (3-5/9/2015, Bologna & Ravenna, Italy).
- “Exploring microbiota diversity through massive parallel sequencing with the Ion Torrent PGM platform” (**poster**). De Fanti S., Quagliariello A., Aloisio I., **Sazzini M.**, Corvaglia L.T., Albanese D., De Filippo C., Di Gioia D., Luiselli D. XXI Congress of the Italian Anthropological Association (3-5/9/2015, Bologna & Ravenna, Italy).
- “Disentangling demographic history and the genetic bases of high-altitude adaptation of an isolated Himalayan population” (**poster**). Gneccchi Ruscone G.A., Sarno S., Carta M., De Fanti S., Jeong C., Gentilini D., Di Blasio A.M., Trentini P., Sherpa M.G., Peluzzi D., Di Rienzo A., Pettener D., Luiselli D., **Sazzini M.** XXI Congress of the Italian Anthropological Association (3-5/9/2015, Bologna & Ravenna, Italy).
- “Detecting signatures of genetic adaptation to climate in European populations” (**poster**). Quagliariello A., De Fanti S., Giuliani C., **Sazzini M.**, Luiselli D. XXI Congress of the Italian Anthropological Association (3-5/9/2015, Bologna & Ravenna, Italy).
- “Genomic ancestry of Southern Italy: insights into the complex admixture history and the recent cultural heritage” (**poster**). Sarno S., Boattini A., Pagani L., Bortolini E., Sazzini M., De Fanti S., Quagliariello A., Barbieri C., Cilli E., Petrilli R., Mikerezi I., Sineo L., Vilar M.G., Wells R.S., Romeo G., Luiselli D., Pettener D. and the Genographic Consortium. XXI Congress of the Italian Anthropological Association (3-5/9/2015, Bologna & Ravenna, Italy).
- “Natural variation of DNA methylation profiles along the Italian peninsula: an evolutionary perspective reveals implications for human health and diseases” (**talk**). Giuliani C., Pirazzini C., Bacalini M. G., **Sazzini M.**, Franceschi C., Luiselli D., Garagnani P. Evolutionary Medicine Conference: Interdisciplinary Perspectives on Human Health and Disease (30/7-1/8/2015, Zurich, Switzerland).
- “Depicting population structure and adaptive events along the Italian Peninsula: implications for susceptibility to diseases” (**talk**). **Sazzini M.**, Giuliani C., Sarno S., Gneccchi Ruscone G. A., Salvarani C., Franceschi C., Garagnani P., Luiselli D. I Annual Meeting of the International Society for Evolution, Medicine and Public Health (19-21/3/2015, Tempe, AZ, US).
- “Sequencing of Human Whole Mitochondrial Genomes with the Ion PGM platform: an optimized workflow” (**poster**). De Fanti S., Giuliani C., **Sazzini M.**, Quagliariello A., Cherubini A., Sevini F., Iaquilano N., Vianello D., Franceschi C., Luiselli D. Ion Torrent User Group Meeting (30/9-1/10/2014, Bologna, Italy).
- “Analysis of intestinal microbial biodiversity in newborns exposed to intrapartum antibiotic prophylaxis by means of a massive sequencing approach” (**poster**). De Fanti S., Quagliariello A., Aloisio I., Mazzola G., **Sazzini M.**, Corvaglia L.T., Luiselli D., Di Gioia D. XIII FISV Congress (24-27/9/2014, Pisa, Italy).
- “Exploring genetic variability of genes involved in nutrition and thermoregulation processes in European populations” (**poster**). Quagliariello A., De Fanti S., Giuliani C., **Sazzini M.**, Luiselli D. XIII FISV Congress (24-27/9/2014, Pisa, Italy).
- “Investigating the link between past adaptations and modern diseases: a nutrition-related perspective” (**poster**). **Sazzini M.**, Quagliariello A., Cherubini A., De Fanti S., Spisni E., Luiselli D. ESHE International Meeting (18-20/9/2014, Florence, Italy).
- “Dissecting the role of several candidate genes in adaptations to dietary shifts and nutrition-related diseases” (**poster**). **Sazzini M.**, Quagliariello A., Cherubini A., Pagani L., De Fanti S., Spisni E., Luiselli D. EMBO International Conference - Human evolution in the genomic era: Origins, populations and phenotypes (1-4/4/2014, Leicester, UK).

- “NGS-PTL project overview: status of on-going project activities and future objectives” (**talk**). Martinelli G., Iacobucci I., **Sazzini M.** NGS-PTL annual meeting (6/2/2014, Munich, GE)
- “Genome-culture interactions in the evolution of human taste” (**poster**). Risso D., De Fanti S., Quagliariello A., Giuliani C., **Sazzini M.**, Tofanelli S., Morini G., Pettener D., Luiselli D. Congress of Italian Genetics Association (25-27/9/2013, Cortona).
- “Variation patterns at nutrition-related genes: insight into human adaptations to dietary changes” (**talk**). **Sazzini M.**, Quagliariello A., Pagani L., De Fanti S., Pettener D., Luiselli D. XX Congress of Italian Anthropological Association (11-13/9/2013, Ferrara).
- “Optimization of Whole Mitochondrial Genome Sequencing with Ion Personal Genome Machine (PGM) System” (**poster**). De Fanti S., Giuliani C., **Sazzini M.**, Sevini F., Iaquilano N., Vianello D., Franceschi C., Luiselli D. XX Congress of Italian Anthropological Association (11-13/9/2013, Ferrara).
- “Analisi di CNVs nella popolazione sarda: primi risultati dalla comparazione con i dati HAPMAP” (**poster**). Boattini A., **Sazzini M.**, Garagnani P., Corrias L., Vona G., Calò C.M., Piras I.S. 11-13 Settembre 2013. XX Congress of Italian Anthropological Association (11-13/9/2013, Ferrara).
- “Genetic variability of genes involved in Nutrition and Thermoregulation processes” (**poster**). Quagliariello A., De Fanti S., Giuliani C., **Sazzini M.**, Luiselli D. XX Congress of Italian Anthropological Association (11-13/9/2013, Ferrara).
- “In search of the best measure for syntactic distances and their implications” (**poster**). Pagani L., Boattini A., **The Langelin Project Consortium**. International workshop - Advances in Phylogenetic Linguistics (15-17/7/2013, Ragusa).
- “Work Package 2: Constitution of a European NGS platform” (**talk**). Iacobucci I., Martinelli G., **Sazzini M.** NGS-PTL Kick-off meeting (29-30/12/2012, Bologna).
- “Searching for signatures of cold adaptation in the Neandertal and Denisovan genomes: hints from the brown adipose tissue genes” (**poster**). **Sazzini M.**, Schiavo G., De Fanti S., Martelli PL., Casadio R., Luiselli D. International conference - High Altitude and Cold: Adaptation to the extremes (28-29/9/2012, Cambridge).
- “Population structure of Sicily within Mediterranean genetic landscapes: a paternal perspective” (**poster**). Sarno S., Boattini A., Carta M., De Fanti S., **Sazzini M.**, Yang Yao D., Ciani G., Useli A., Martinez-Cruz B., Bertranpetit J., Comas D., Luiselli D., Pettener D. Incontro Giovani Antropologi (13-14/9/2012, Firenze).
- “Evolutionary genetics of lactase persistence in Italy” (**poster**). De Fanti S., **Sazzini M.**, Sarno S., Giuliani C., Garagnani P., Montinaro F., Anagnostou P., Destro Bisol G., Luiselli D. Incontro Giovani Antropologi (13-14/9/2012, Firenze).
- “Searching for signatures of cold adaptation in the Neanderthal and Denisovan genomes: hints from the brown adipose tissue genes” (**talk**). **Sazzini M.**, Schiavo G., De Fanti S., Martelli PL., Casadio R., Luiselli D. Incontro Giovani Antropologi (13-14/9/2012, Firenze).
- “Next generation sequencing: progressi nella caratterizzazione delle ALL” (**talk**). Iacobucci I., **Sazzini M.**, Lonetti A., Ferrari A., Papayannidis C., Viviana G., Trino S., Cattina F., Pane F., Baccarani M., Russo D., Martinelli G. International Workshop - Next Generation Sequencing: Nuovi traguardi per la diagnostica e le terapie personalizzate (11/5/2012, Bologna).
- “Next generation sequencing: progressi nella caratterizzazione della CML” (**talk**). Soverini S., Poerio A., Iacobucci I., **Sazzini M.**, Score J, Colarossi S., Gnani A., Castagnetti F., Palandri F., Gugliotta G., Amabile M., Rosti G., Baccarani M., Cross N.C.P, Martinelli G. International Workshop - Next Generation Sequencing: Nuovi traguardi per la diagnostica e le terapie personalizzate (11/5/2012, Bologna).
- “Organization of the courses in the Biological Sciences Degree” e “Il DNA racconta: Il lungo viaggio dell’Uomo” (**talk**). **Sazzini M.** Seminario di orientamento “Progetto Lauree Scientifiche - orientamento e formazione degli insegnanti”, Università degli Studi di Bologna (26/4/2012, Bologna).
- “Taste, genes and health” (**talk**). **Sazzini M.**, De Fanti S., Luiselli D. 3° Giornata di Studi Annuale Consorzio il Cigno “Gastronomia e identità del territorio. Genetica e cibo nel rapporto fra ricerca e antichi mangiari” (22/10/2011, Levanto).

- “Next generation paired end transcriptomic re-sequencing technology reveals novel common genetic alterations in the Hedgehog pathway in *BCR-ABL1* positive ALL” (**poster**). Iacobucci I., Ferrarini A., **Sazzini M.**, Lonetti A., Ferrari A., Papayannidis C., Soverini S., Xumerle L., Viviana G., Trino S., Cattina F., Pane F., Baccarani M., Russo D., Delledonne M., Martinelli G. 43° Congresso Nazionale SIE (16-19/10/2011, Napoli).
- “Discordant patterns of mtDNA and ethno-linguistic variation in 14 Iranian ethnic groups” (**poster**). **Sazzini M.**, Farjadian S., Tofanelli S., Castrì L., Taglioli L., Pettener D., Ghaderi A., Romeo G., Luiselli D. XIX Congresso dell'Associazione Antropologica Italiana (21-24/9/2011, Torino).
- “Epigenetic variability among populations: the DNA methylation as a marker of population structure” (**poster**). Garagnani P., Pirazzini C., Giuliani C., **Sazzini M.**, Boattini A., Franceschi C., Luiselli D. XIX Congresso dell'Associazione Antropologica Italiana (21-24/9/2011, Torino).
- “Between Europe and the Mediterranean: high-resolution Y chromosome structure in Italy” (**poster**). Sarno S., Boattini A., Yang Yao D., De Fanti S., **Sazzini M.**, Ciani G., Useli A., Martinez-Cruz B., Bertranpetit J., Comas D., Luiselli D., Pettener D. XIX Congresso dell'Associazione Antropologica Italiana (21-24/9/2011, Torino).
- “OMICS: new applications to the study of the Italian population variability” (**talk**). **Sazzini M.**, Garagnani P., Boattini A., Pettener D., Luiselli D. Meeting nazionale di Antropologia Molecolare (18-19/2/ 2011, Cittadella Universitaria di Monserrato, Cagliari)
- “Identification of A Pharmacogenomic Profile Associated with High Sensitivity and Low Toxicity to a Combination of Gemtuzumab Ozogamicin Plus Fludarabine, Cytarabine, Idarubicin Regimen In CD33-Positive AML” (**talk**). Iacobucci I., Lonetti A., Candoni A., **Sazzini M.**, Formica S., Ottaviani E., Ferrari A., Papayannidis C., Michelutti A., Toffoletti E. Astolfi A., Paolini S., Abbenante M., Parisi S., Russo D., Damiani D., Gherlinzoni F., Gottardi M., Baccarani M., Fanin R., Martinelli G. 52th ASH Annual Meeting and Exposition (4-7/12/2010, Orlando, Florida, USA).
- “Susceptibility to Philadelphia-Positive ALL Is Associated with a Germline Polymorphism In the ANRIL (CDKN2BAS) Locus” (**poster**). Iacobucci I., **Sazzini M.**, Lonetti A., Boattini A., Papayannidis C., Garagnani P., Abbenante M., Mantovani V., Marasco E., Ottaviani E., Paolini S., Girelli D., Vignetti M., Pane F., Soverini S., Baccarani M., Martinelli G. 52th ASH Annual Meeting and Exposition (4-7/12/2010, Orlando, Florida, USA).
- “High-resolution pharmacogenetic profiles of genes involved in drug absorption, distribution, metabolism and elimination in Philadelphia-positive ALL” (**poster**). Iacobucci I., **Sazzini M.**, Lonetti A., Ferrarini A., Formica S., Papayannidis C., Garagnani P., Boattini A., Astolfi A., Paolini S., Cilloni D., Abbenante M., Guadagnuolo V., Vitale A., Pane F., Soverini S., Vignetti M., Foà R., Baccarani M., Martinelli G. 15th EHA Congress (10-13/6/2010, Barcelona, Spain).
- “Whole-Transcriptome Sequencing (RNA-Seq): ALL and CML case studies” (**talk**). **Sazzini M.**, Garagnani P. CRBA meeting Centro di Ricerca Biomedica Applicata (23/4/2010, Bologna).
- “Whole Transcriptome Sequencing of a Philadelphia Positive ALL with a Next Generation Sequencing Technology revealed Novel Point Mutations Associated with Disease-Progression” (**poster**). Iacobucci I., Ferrarini A., **Sazzini M.**, Giacomelli E., Lonetti A., Muschen M., Xumerle L., Papayannidis C., Poverini S., Ottaviani E., Paolini S., Ferrari S., Messa F., Cilloni D., Vitale A., Pane F., Saglio G., Foà R., Baccarani M., Delledonne M., Martinelli G. 51th ASH Annual Meeting and Exposition (5-8/12/2009, New Orleans, LA, USA).
- “Is Molecular Anthropology ready for the Next Generation Sequencing Technologies revolution? A whole transcriptome sequencing case study” (**talk**). **Sazzini M.**, Garagnani P., Bottini A., Iacobucci I., Ferrarini A., Giacomelli E., Xumerle L., Malerba G., Delledonne M., Martinelli G., Luiselli D. 4th International conference of the series DNA polymorphisms in human populations “Molecular Anthropology in the Genomic Era”. (3-5/10/2009, Roma).
- “Linguistic, geographic and socio-economic isolates in Italy: analysis of bio-cultural interactions” (**talk**). Pettener D., Boattini A., Useli A., **Sazzini M.**, Ciani G., Ferri G., Tagarelli A., Luiselli D. XVIII Congresso degli Antropologi Italiani (1-4/10/2009, Firenze).
- “Whole transcriptome sequencing of Ph-positive ALL” (**talk**). Iacobucci I., **Sazzini M.**, Lonetti A., Ferrari A., Papayannidis C., Poverini S., Ottaviani E., Paolini S., Lama B., Martinelli G., Baccarani M. 11th International Conference CML - Biological Basis of Therapy (11-13/9/2009, Bordeaux, France).

- “*TNFRSF13B* genetic variability: an anthropological-evolutionary approach to biomedical research” (talk). **Sazzini M.** BES Research Seminars, Dipartimento di Biologia Evoluzionistica Sperimentale, Università di Bologna (25/5/2009, Bologna).
- “*TNFRSF13B* implications in Common Variable Immunodeficiency: what an anthropological-evolutionary approach tells us” (talk). **Sazzini M.**, Zuntini R., Quinti I., Ricci G., Romeo G., Ferrari S., Calafell F., Luiselli D. International Meeting - 1908-2008: 100 anni di Antropologia a Bologna. Nuove prospettive di ricerca (27-28/11/2008, Bologna).
- “*TNFRSF13B* gene variability in Italian CVID and IgAD patients: a population study” (poster). **Sazzini M.**, Zuntini R., Ferrari S., Ricci G., Quinti I., Romeo G., Luiselli D. 13th Meeting of the European Society for Immunodeficiencies (ESID) (16/10/2008, Hertogenbosch, The Netherlands).
- “Analysis of mtDNA variability in human populations” (talk). **Sazzini M.** Ciclo di conferenze - Università e città: La ricerca genetica a Bologna (21/11/2007, Bologna).
- “Variability of the *TNFRSF13B* (TACI) gene in samples from the Italian and African populations” (talk). **Sazzini M.**, Zuntini R., Romeo G., Ferrari S., Luiselli D. XVII Congresso degli Antropologi Italiani, (26-29/9/2007, Cagliari).
- “Status and conservation of two populations of *Salamandrina perspicillata* (Amphibia: Urodela: Salamandridae) in the Bologna province” (talk). **Sazzini M.**, Dall’Alpi A. VI Congresso Nazionale della Societas Herpetologica Italica (SHI) (27/9/2006-1/10/2006, Roma).

PUBLICATIONS

1. Grasping the genetic determinants of human adaptations: the “Kings of the Mountains” (Sherpa) case study. **Sazzini M.** J Anthropol Sci. 2019 [doi: 10.4436/JASS.97011; Epub ahead of print].
2. Gut microbiota composition in Himalayan and Andean populations and its relationship with diet, lifestyle and adaptation to the high-altitude environment. Quagliariello A, Di Paola M, De Fanti S, Gneccchi-Rusccone GA, Martinez-Priego L, Pérez-Villaroya D, Sherpa MG, Sherpa PT, Marinelli G, Natali L, Di Marcello M, Peluzzi D, Di Cosimo P, D’Auria G, Pettener D, **Sazzini M***, Luiselli D, De Filippo C. J Anthropol Sci. 2019 [doi: 10.4436/JASS.97007; Epub ahead of print]. ***Corresponding author**
3. Gneccchi-Rusccone GA, Sarno S, De Fanti S, Gianvincenzo L, Giuliani C, Boattini A, Bortolini E, Di Corcia T, Sanchez Mellado C, Dávila Francia TJ, Gentilini D, Di Blasio AM, Di Cosimo P, Cilli E, Gonzalez-Martin A, Franceschi C, Franceschi ZA, Rickards O, **Sazzini M***, Luiselli D, Pettener D. Dissecting the Pre-Columbian genomic ancestry of Native Americans along the Andes-Amazonia divide. Mol Biol Evol. 2019; pii: msz066 [doi: 10.1093/molbev/msz066]. ***Corresponding author**
4. Abondio P, **Sazzini M**, Garagnani P, Boattini A, Monti D, Franceschi C, Luiselli D, Giuliani C. The Genetic Variability of APOE in Different Human Populations and Its Implications for Longevity. Genes (Basel). 2019; 10(3). pii: E222 [doi: 10.3390/genes10030222].
5. Cilli E, Sarno S, Gneccchi Ruscone GA, Serventi P, De Fanti S, Delaini P, Ognibene P, Basello GP, Ravegnini G, Angelini S, Ferri G, Gentilini D, Di Blasio AM, Pelotti S, Pettener D, **Sazzini M**, Panaino A, Luiselli D, Gruppioni G. The genetic legacy of the Yagnobis: A witness of an ancient Eurasian ancestry in the historically reshuffled central Asian gene pool. Am J Phys Anthropol. 2019; 168(4):717-728 [doi: 10.1002/ajpa.23789].
6. Barozzi C, Galletti M, Tomasi L, De Fanti S, Palazzini M, Manes A, **Sazzini M***, Galiè N. A Combined Targeted and Whole Exome Sequencing Approach Identified Novel Candidate Genes Involved in Heritable Pulmonary Arterial Hypertension. Sci Rep. 2019; 9(1):753 [doi: 10.1038/s41598-018-37277-0]. ***Corresponding author**
7. Simonetti G, Padella A, do Valle IF, Fontana MC, Fonzi E, Bruno S, Baldazzi C, Guadagnuolo V, Manfrini M, Ferrari A, Paolini S, Papayannidis C, Marconi G, Franchini E, Zuffa E, Laginestra MA, Zanotti F, Astolfi A, Iacobucci I, Bernardi S, **Sazzini M**, Ficarra E, Hernandez JM, Vandenberghe P, Cools J, Bullinger L, Ottaviani E, Testoni N, Cavo M, Haferlach T, Castellani G, Remondini D, Martinelli G. Aneuploid acute myeloid leukemia exhibits a signature of genomic alterations in the cell cycle and protein degradation machinery. Cancer. 2019; 125(5):712-725 [doi: 10.1002/cncr.31837].

8. Gneccchi-Rusccone GA, Abondio P, De Fanti S, Sarno S, Sherpa MG, Sherpa PT, Marinelli G, Natali L, Di Marcello M, Peluzzi D, Luiselli D, Pettener D, **Sazzini M***. Evidence of Polygenic Adaptation to High Altitude from Tibetan and Sherpa Genomes. *Genome Biol Evol.* 2018; 10(11):2919-2930 [doi: 10.1093/gbe/evy233]. ***Corresponding author**
9. Giuliani C*, **Sazzini M***, Pirazzini C, Bacalini MG, Marasco E, Ruscone GAG, Fang F, Sarno S, Gentilini D, Di Blasio AM, Crocco P, Passarino G, Mari D, Monti D, Nacmias B, Sorbi S, Salvarani C, Catanoso M, Pettener D, Luiselli D, Ukraintseva S, Yashin A, Franceschi C, Garagnani P. Impact of demography and population dynamics on the genetic architecture of human longevity. *Aging (Albany NY).* 2018; 10(8):1947-1963 [doi: 10.18632/aging.101515]. ***Co-first author**
10. Gneccchi-Rusccone GA, Jeong C, De Fanti S, Sarno S, Trancucci M, Gentilini D, Di Blasio AM, Sherpa MG, Sherpa PT, Marinelli G, Di Marcello M, Natali L, Peluzzi D, Pettener D, Di Rienzo A, Luiselli D, **Sazzini M***. The genomic landscape of Nepalese Tibeto-Burmans reveals new insights into the recent peopling of Southern Himalayas. *Sci Rep.* 2017; 7(1):15512 [doi: 10.1038/s41598-017-15862-z; EISSN: 2045-2322]. ***Corresponding author**
11. Pagani L, Diekmann Y, **Sazzini M**, De Fanti S, Rondinelli M, Farnetti E, Casali B, Caretto A, Novara F, Zuffardi O, Garagnani P, Mantero F, Thomas MG, Luiselli D, Rossi E. Three Reportedly Unrelated Families With Liddle Syndrome Inherited From a Common Ancestor. *Hypertension.* 2017; 71(2):273-279 [doi: 10.1161/HYPERTENSIONAHA.117.10491].
12. Bortolini E, Pagani L, Crema ER, Sarno S, Barbieri C, Boattini A, **Sazzini M**, da Silva SG, Martini G, Metspalu M, Pettener D, Luiselli D, Tehrani JJ. Reply to d'Huy et al.: Navigating biases and charting new ground in the cultural diffusion of folktales. *Proc Natl Acad Sci USA.* 2017; 114(41):E8556 [doi: 10.1073/pnas.1715139114; ISSN 1091-6490].
13. Ben Halima Y, Kefi R, **Sazzini M**, Giuliani C, De Fanti S, Nouali C, Nagara M, Mengozzi G, Elouej S, Abid A, Jamoussi H, Chouchane L, Romeo G, Abdelhak S, Luiselli D. Lactase persistence in Tunisia as a result of admixture with other Mediterranean populations. *Genes Nutr.* 2017; 12:20 [doi: 10.1186/s12263-017-0573-3; ISSN: 1555-8932; EISSN: 1865-3499].
14. Bortolini E, Pagani L, Crema ER, Sarno S, Barbieri C, Boattini A, **Sazzini M**, da Silva SG, Martini G, Metspalu M, Pettener D, Luiselli D, Tehrani JJ. Inferring patterns of folktales diffusion using genomic data. *Proc Natl Acad Sci USA.* 2017; 114(34):9140-9145 [doi: 10.1073/pnas.1614395114; ISSN 1091-6490].
15. Quagliarello A, De Fanti S, Giuliani C, Abondio P, Serventi P, Sarno S, **Sazzini M***, Luiselli D. Multiple selective events at the PRDM16 functional pathway shaped adaptation of western European populations to different climate conditions. *J Anthropol Sci.* 2017; 95:235-247 [doi:10.4436/JASS.95011; ISSN 1827-4765]. ***Co-senior author**
16. Sarno S, Boattini A, Pagani L, **Sazzini M**, De Fanti S, Quagliariello A, Gneccchi Ruscone GA, Guichard E, Ciani G, Bortolini E, Barbieri C, Cilli E, Petrilli R, Mikerezi I, Sineo L, Vilar M, Wells S, Luiselli D, Pettener D. Ancient and recent admixture layers in Sicily and Southern Italy trace multiple migration routes along the Mediterranean. *Sci Rep.* 2017; 7(1):1984 [doi:10.1038/s41598-017-01802-4; EISSN: 2045-2322].
17. Palombo F, Al-Wardy N, Ruscone GA, Oppo M, Kindi MN, Angius A, Al Lamki K, Girotto G, Giangregorio T, Benelli M, Magi A, Seri M, Gasparini P, Cucca F, **Sazzini M**, Al Khabori M, Pippucci T, Romeo G. A novel founder MYO15A frameshift duplication is the major cause of genetic hearing loss in Oman. *J Hum Genet* 2017; 62(2):259-264 [doi:10.1038/jhg.2016.120; ISSN: 1434-5161; EISSN: 1435-232X].
18. De Fanti S, Vianello D, Giuliani C, Quagliariello A, Cherubini A, Sevini F, Iaquilano N, Franceschi C, **Sazzini M***, Luiselli D. Massive parallel sequencing of Human Whole Mitochondrial Genomes with Ion Torrent™ technology: an optimized workflow for Anthropological and Population Genetics studies. *Mitochondrial DNA A DNA Mapp Seq Anal* 2016; 28(6):843-850 [doi:10.1080/24701394.2016.1197218; ISSN: 2470-1394; EISSN: 2470-1408]. ***Co-senior author**

19. **Sazzini M***, Gnecci Ruscone GA, Giuliani C, Sarno S, Quagliariello A, De Fanti S, Boattini A, Gentilini D, Fiorito G, Catanoso M, Boiardi L, Croci S, Macchioni P, Mantovani V, Di Blasio AM, Matullo G, Salvarani C, Franceschi C, Pettener D, Garagnani P, Luiselli D. Complex interplay between neutral and adaptive evolution shaped differential genomic background and disease susceptibility along the Italian peninsula. *Sci Rep* 2016; 6:32513 [doi:10.1038/srep32513; EISSN: 2045-2322]. ***Corresponding author**
20. Bayoumi R, De Fanti S, **Sazzini M***, Giuliani C, Quagliariello A, Bortolini E, Boattini A, Al-Habori M, Al-Zubairi AS, Rose JI, Romeo G, Al-Abri A, Luiselli D. Positive selection of lactase persistence among people of Southern Arabia. *Am J Phys Anthropol* 2016; 161(4):676-684 [doi:10.1002/ajpa.23072; ISSN: 0002-9483; EISSN: 1096-8644]. ***Corresponding author**
21. Giuliani C, **Sazzini M**, Bacalini MG, Pirazzini C, Marasco E, Fontanesi E, Franceschi C, Luiselli D, Garagnani P. Epigenetic variability across human populations: a focus on DNA methylation profiles of the KRTCAP3, MAD1L1 and BRSK2 genes. *Genome Biol Evol* 2016; 8(9): 2760-2773 [doi:10.1093/gbe/evw186; EISSN: 1759-6653].
22. **Sazzini M***, De Fanti S, Cherubini A, Quagliariello A, Profitti G, Martelli PL, Casadio R, Ricci C, Campieri M, Lanzini A, Volta U, Caio G, Franceschi C, Spisni E, Luiselli D. Ancient pathogen-driven adaptation triggers increased susceptibility to Non-Celiac Wheat Sensitivity in present-day European populations. *Genes Nutr* 2016; 11:15 [doi:10.1186/s12263-016-0532-4; ISSN: 1555-8932; EISSN: 1865-3499]. (One of three most cited articles of 2016 from the open access journal, Genes & Nutrition according to WoS) ***Corresponding author**
23. Luiselli D, **Sazzini M**, Giuliani C. Il ruolo degli alimenti di origine animale nell'evoluzione umana. In "Alimenti di origine animale e salute" Mele M and Pulina G (Eds.). 2016; pp. 43-54, Ed. FrancoAngeli, Milano, Italy [ISBN: 978-88-917-2768-8; EISBN: 978-88-917-3585-0].
24. Giuliani C, Cilli E, Bacalini MG, Pirazzini C, **Sazzini M**, Gruppioni G, Franceschi C, Garagnani P, Luiselli D. Inferring chronological age from DNA methylation patterns of human teeth. *Am J Phys Anthropol* 2016; 159(4): 585-595 [doi:10.1002/ajpa.22921; ISSN: 0002-9483; EISSN: 1096-8644].
25. De Fanti S, Barbieri C, Sarno S, Sevini F, Vianello D, Tamm E, Metspalu E, van Oven M, Hubner A, **Sazzini M**, Franceschi C, Pettener D, Luiselli D. Fine dissection of human mitochondrial DNA haplogroup HV lineages reveals Paleolithic signatures from European glacial refugia. *PLoS One* 2015; 10(12): e0144391 [doi:10.1371/journal.pone.0144391; EISSN: 1932-6203].
26. **Sazzini M**, Garagnani P, Sarno S, De Fanti S, Lazzano T, Yang Yao D, Boattini A, Pazzola G, Maramotti S, Boiardi L, Franceschi C, Salvarani C, Luiselli D. Tracing Behçet's disease origins along the Silk Road: an Anthropological Genetics perspective. *Clin Exp Rheumatol* 2015; 33(6 Suppl 94): S60-66 [ISSN: 0392-856X; EISSN: 1593-098X].
27. De Fanti S, **Sazzini M***[§], Giuliani C, Frazzoni F, Sarno S, Boattini A, Marasco E, Mantovani V, Franceschi C, Moral P, Garagnani P, Luiselli D. Inferring the genetic history of lactase persistence along the Italian peninsula from a large genomic interval surrounding the LCT gene. *Am J Phys Anthropol* 2015; 158(4): 708-718 [doi:10.1002/ajpa.22814; ISSN: 0002-9483; EISSN: 1096-8644]. ***Co-first author; §corresponding author**
28. Giuliani C, Bacalini MG, **Sazzini M**, Pirazzini C, Franceschi C, Garagnani P, Luiselli D. The epigenetic side of human adaptation: hypotheses, evidences and theories. *Ann Hum Biol* 2015; 42(1): 1-9 Review [doi:10.3109/03014460.2014.961960; ISSN: 0301-4460; EISSN: 1464-5033].
29. Risso D, Morini G, Pagani L, Quagliariello A, Giuliani C, De Fanti S, **Sazzini M**, Luiselli D, Tofanelli S. Genetic signature of differential sensitivity to stevioside in the Italian population. *Genes Nutr* 2014; 9(3): 401 [doi:10.1007/s12263-014-0401-y; ISSN: 1555-8932; EISSN: 1865-3499].
30. **Sazzini M***, Schiavo G, De Fanti S, Martelli PL, Casadio R, Luiselli D. Searching for signatures of cold adaptations in modern and archaic humans: hints from the brown adipose tissue genes. *Heredity* 2014; 113(3): 259-267 [doi:10.1038/hdy.2014.24; ISSN: 0018-067X; EISSN: 1365-2540]. ***Corresponding author**

31. **Sazzini M**, Sarno S, Luiselli D. The Mediterranean human population: an Anthropological Genetics perspective. In "The Mediterranean Sea: Its History and Present Challenges" Goffredo S and Dubinsky Z (Eds.) 2014; pp. 529-551, Ed. Springer, Berlin, Germany [ISBN: 978-94-007-6703-4; EISBN: 978-94-007-6704-1].
32. Quagliariello A, De Fanti S, Giuliani C, **Sazzini M**, Luiselli D. Genetic variability of genes involved in Nutrition and Thermoregulation processes. *Annali dell'Università di Ferrara Sezione: Museologia scientifica e naturalistica* 2013; 9/1 [ISSN: 1824-2707].
33. Boattini A, Castrì L, Sarno S, Useli A, Cioffi M, **Sazzini M**, Garagnani P, De Fanti S, Pettener D, Luiselli D. mtDNA variation in East-Africa unravels the history of Afro-Asiatic groups. *Am J Phys Anthropol* 2013; 150(3): 375-385 [doi:10.1002/ajpa.22212; ISSN: 0002-9483; EISSN: 1096-8644].
34. Catanoso MG, Boiardi L, Macchioni P, Garagnani P, **Sazzini M**, De Fanti S, Farnetti E, Casali B, Chiarolanza I, Nicoli D, Luiselli D, Salvarani C. IL-23A, IL-23R, IL-17A and IL-17R polymorphisms in different psoriatic arthritis clinical manifestations in the northern Italian population. *Rheumatol Int* 2013; 33(5): 1165-1176 [doi:10.1007/s00296-012-2501-6; ISSN: 0172-8172; EISSN: 1437-160X].
35. Iacobucci I, Lonetti A, Candoni A, **Sazzini M**, Papayannidis C, Formica S, Ottaviani E, Ferrari A, Michelutti A, Simeone E, Astolfi A, Paolini S, Abbenante MC, Parisi S, Cattina F, Malagola M, Russo D, Damiani D, Gherlinzoni F, Gottardi M, Baccarani M, Fanin R., Martinelli G. Profiling of drug-metabolizing enzymes/transporters in CD33+ acute myeloid leukemia patients treated with Gemtuzumab-Ozogamicin and Fludarabine, Cytarabine and Idarubicin. *Pharmacogenomics J* 2013; 13(4): 335-341 [doi:10.1038/tpj.2012.13; ISSN: 1470-269X; EISSN: 1473-1150].
36. Mijatovic V, Iacobucci I, **Sazzini M**, Xumerle L, Mori A, Pignatti PF, Martinelli G, Malerba G. Imputation reliability on DNA biallelic markers for drug metabolism studies. *BMC Bioinformatics* 2012; 13 Suppl 14: S7 [doi:10.1186/1471-2105-13-S14-S7; EISSN: 1471-2105].
37. Farjadian S, **Sazzini M***, Tofanelli S, Castrì L, Taglioli L, Pettener D, Ghaderi A, Romeo G, Luiselli D. An Exploratory Picture of the Iranian MtDNA Landscape. *J Biol Res-Thessalon* 2012; 1(LXXXV): 166-167 [ISSN: 1790-045 X; EISSN: 2241-5793]. ***Corresponding author**
38. Sarno S, Boattini A, Yang Yao D, De Fanti S, **Sazzini M**, Ciani G, Useli A, Martinez-Cruz B, Bertranpetit J, Comas D, Luiselli D, Pettener D. Between Europe and the Mediterranean: high resolution Y-chromosome structure of Italy - Preliminary results. *J Biol Res-Thessalon* 2012; 1(LXXXV): 172-173 [ISSN: 1790-045 X; EISSN: 2241-5793].
39. Iacobucci I, Ferrarini A, **Sazzini M***, Giacomelli E, Lonetti A, Xumerle L, Ferrari A, Papayannidis C, Malerba G, Luiselli D, Boattini A, Garagnani P, Vitale A, Soverini S, Pane F, Baccarani M, Delledonne M Martinelli G. Application of the Whole Transcriptome Shotgun Sequencing approach to the study of Philadelphia-Positive Acute Lymphoblastic Leukemia. *Blood Cancer J* 2012; 2(3): e61 [doi:10.1038/bcj.2012.6; EISSN: 2044-5385]. ***Co-first author**
40. Piras IS, De Montis A, Calò CM, Marini M, Atzori M, Corrias L, **Sazzini M**, Boattini A, Vona G, Contu L. Genome wide scan with nearly 700,000 SNPs in two Sardinian subpopulations suggests some regions as candidate targets for positive selection. *Eur J Hum Genet* 2012; 20(11): 1155-1161 [doi:10.1038/ejhg.2012.65; ISSN: 1018-4813; EISSN: 1476-5438].
41. Lang M, **Sazzini M***, Calabrese FM, Simone D, Boattini A, Romeo G, Luiselli D, Attimonelli M, Gasparre G. Polymorphic NumtS trace human population relationships. *Hum Genet* 2012; 131(5): 757-771 [doi:10.1007/s00439-011-1125-3; ISSN: 0340-6717; EISSN: 1432-1203]. ***Co-first author**
42. Farjadian S, **Sazzini M**, Tofanelli S, Castrì L, Taglioli L, Pettener D, Ghaderi A, Romeo G, Luiselli D. Discordant patterns of mtDNA and ethno-linguistic variation in 14 Iranian ethnic groups. *Hum Hered* 2011; 72(2): 73-84 [doi:10.1159/000330166; ISSN: 0001-5652; EISSN: 1423-0062].
43. Rossi E, Farnetti E, Nicoli D, **Sazzini M**, Perazzoli G, Regolisti C, Grasselli C, Santi R, Negro A, Mazzeo V, Mantero F, Luiselli D, Casali B. A clinical phenotype mimicking essential hypertension in a newly discovered family with Liddle's syndrome. *Am J Hypertens* 2011; 24(8): 930-935 [doi:10.1038/ajh.2011.76; ISSN: 0895-7061; EISSN: 1941-7225].

44. Iacobucci I, **Sazzini M***, Garagnani P, Ferrari A, Boattini A, Lonetti A, Papayannidis C, Mantovani V, Marasco E, Ottaviani E, Soverini S, Girelli G, Luiselli D, Vignetti M, Cilloni D, Baccharani M, Martinelli G. A polymorphism in the chromosome 9p21 *ANRIL* locus is associated to Philadelphia positive acute lymphoblastic. *Leukemia Res* 2011; 35(8): 1052-1059 [doi:10.1016/j.leukres.2011.02.020; ISSN: 0145-2126; EISSN: 1873-5835]. ***Co-first author**
45. Soverini S, Score J, Iacobucci I, Poerio A, Lonetti A, Gnani A, Colarossi S, Ferrari A, Castagnetti F, Rosti G, Cervantes F, Hochhaus A, Delledonne M, Ferrarini A, **Sazzini M**, Luiselli D, Baccharani M, Cross NC, Martinelli G. IDH2 somatic mutations in chronic myeloid leukemia patients in blast crisis. *Leukemia* 2011; 25(1): 178-181 [doi:10.1038/leu.2010.236; ISSN: 0887-6924; EISSN: 1476-5551].
46. **Sazzini M**, De Fanti S, Luiselli D. Gusto, geni e salute In "Gastronomia e identità del territorio. Genetica e cibo nel rapporto fra ricerca e antichi mangiari". 2011; pp. 26-31, Ed. Consorzio il Cigno, Levanto, Italy.
47. Boattini A, Luiselli D, **Sazzini M**, Useli A, Tagarelli G, Pettener D. Linking Italy and the Balkans. A Y-chromosome perspective from the Arbereshe of Calabria. *Ann Hum Biol* 2011; 38(1): 59-68 [doi:10.3109/03014460.2010.491837; ISSN: 0301-4460; EISSN: 1464-5033].
48. **Sazzini M**, Zuntini R, Quinti I, Ricci G, Romeo G, Ferrari S, Calafell F, Luiselli D. An evolutionary approach to assess the medical implications of the tumor necrosis factor receptor superfamily member 13B (*TNFRSF13B*) gene. *Genes Immun* 2009; 10(6): 566-578 [doi:10.1038/gene.2009.43; ISSN: 1466-4879; EISSN: 1476-5470].
49. Stanyon R, **Sazzini M**, Luiselli D. Timing the first human migration into eastern Asia. *J Biol* 2009; 8(2): 18. Review [doi:10.1186/jbiol115; EISSN: 1741-7007]. **J Biol has been incorporated by BMC Biology acquiring its IF**
50. Destro Bisol G, Anagnostou P, Batini C, Battaglia C, Bertocini S, Boattini A, Caciagli L, Calò CM, Capelli C, Capocasa M, Castri L, Ciani G, Coia V, Corrias L, Crivellaro F, Ghiani ME, Luiselli D, Mela C, Melis A, Montano V, Paoli G, Sanna E, Rufo F, **Sazzini M**, Taglioli L, Tofanelli S, Useli A, Vona G, Pettener D. Italian isolates today: geographic and linguistic factors shaping human biodiversity. *J Anthropol Sci* 2008; 86: 179-188 [ISSN: 1827-4765; EISSN: 2037-0644].

Dichiarazione sostitutiva di certificazione e dell'atto di notorietà ai sensi degli art. 46-47 del D.P.R. 28.12.2000 N. 445.

Il sottoscritto Marco Sazzini, nato a Bologna (BO) il 31/3/1980 e residente a Bologna in via Misa n. 23, consapevole che le dichiarazioni non veritiere, la falsità negli atti e l'uso di atti falsi sono puniti ai sensi del codice penale e delle leggi speciali in materia, come richiamato dall'articolo 76 del D.P.R. 28.12.2000 N. 445, e che, ove i suddetti reati siano commessi per ottenere la nomina a pubblico ufficio, possono comportare nei casi più gravi l'interdizione dai pubblici uffici, dichiara:

- di essere in possesso dei titoli e di essere autore delle pubblicazioni riportate nel presente Curriculum Vitae;
- che ogni contenuto relativo a titoli, pubblicazioni e attività svolte riportate nel presente Curriculum Vitae è conforme al vero.

Il sottoscritto allega al presente Curriculum Vitae e alla presente dichiarazione copia fotostatica non autenticata del seguente documento di riconoscimento in corso di validità: passaporto rilasciato dalla questura di Bologna in data 1/6/2010.

Il sottoscritto dichiara inoltre di essere informato, ai sensi del decreto legislativo 30.06.2003 N. 196 che i dati personali raccolti saranno trattati, anche con strumenti informatici, esclusivamente nell'ambito del procedimento per il quale la presente dichiarazione viene resa.

Bologna, January 30, 2020

Yours faithfully,



Giorgio MANZI

Professore Ordinario

SSD: Bio/08 - Antropologia

Sconc: 05/B1 - Zoologia e Antropologia

SSerc: LS8_7 - Macroevolution and paleobiology

SAPIENZA Università di Roma

Dipartimento di Biologia Ambientale

Piazzale Aldo Moro 5, 00185 Roma. Italy

(39) 06 4991 2271 (office)

(39) 06 4991 2690 (lab)

(39) 06 4991 2495 (fax)

giorgio.manzi@uniroma1.it

<https://sites.google.com/a/uniroma1.it/giorgio-manzi>

Dati personali

[REDACTED]
- Nazionalità italiana, [REDACTED]

- Maturità classica nell'a.s. 1975-1976

- Laurea con lode in Scienze Biologiche nell'a.a. 1980-81; 110 e lode, tesi in Anatomia Comparata (rel. prof. Alberto Stefanelli)

Dati bibliometrici (Scopus)

h-index 25

documents 73

citations 1715

Posizione attuale :

Professore Ordinario del SSD Bio/08 (Antropologia) alla Sapienza Università di Roma, Facoltà di Scienze Matematiche Fisiche e Naturali, Dipartimento di Biologia Ambientale

Incarichi :

- Direttore del Museo di Antropologia 'G. Sergi'
- Membro Collegio Docenti del Dottorato in Biologia Ambientale ed Evoluzionistica
- Membro del Comitato di Esperti per lo studio e la valorizzazione dell'«Uomo di Altamura» e del sito preistorico di Lamalunga (Altamura, Bari) – coordinamento della Direzione Regionale per i Beni Culturali e Paesaggistici della Puglia
- Membro del Commissione di studi per lo studio del fossile di morfologia neandertaliana denominato «Paus», coordinata della Soprintendenza Archeologica della Lombardia.
- Consulente per la Paleoantropologia di «National Geographic Italia».
- Editorialista di «Le Scienze» (edizione italiana di Scientific American).

Precedenti incarichi :

- 2012-2018, Direttore del Polo museale Sapienza
- 2012-2019, Associate Editor dell' American Journal of Physical Anthropology
- 2011-2012, Consulente per la Paleoantropologia dell'esposizione "HOMO SAPIENS: la grande storia della diversità umana", Palazzo delle Esposizioni (Roma, novembre 2011 – aprile 2012) e successive itineranze
- 1999-2006, Segretario Generale dell'Istituto Italiano di Paleontologia Umana (Is.I.P.U., Roma)
- 1991-2003, Vice-segretario dell'Istituto Italiano di Antropologia (IsItA) e Assistant editor della Rivista di Antropologia (oggi Journal of Anthropological Sciences)

Finanziamenti, premi e riconoscimenti:

Finanziamenti vari per la ricerca attribuiti dalla Sapienza (Ateneo e Facoltà), dal Ministero dell'Istruzione (PRIN), dal Ministero dei Beni Culturali, dal Consiglio Nazionale delle Ricerche.

P.I. del finanziamento Awards assegnato da Sapienza Università di Roma nell'anno 2013 - prot. C26H13A45J

P.I. del finanziamento PRIN 2015 "Rediscovering Altamura: Advanced multidisciplinary investigation on the skeleton from the Lamalunga cave, Italy. the KARST project (Knowing the Altamura man Through Science and Technology)", assegnato dal Ministero dell'Istruzione, Università e Ricerca (MIUR) - prot. 2015WPHSCJ.

Finanziamento PRIN 2015 Rediscovering Altamura: Advanced multidisciplinary investigation on the skeleton from the Lamalunga cave, Italy. the KARST project (Knowing the Altamura man Through Science and Technology).

Premio 'Fabio Frassetto' per l'Antropologia Fisica, attribuito nel 2006 dalla Accademia Nazionale dei Lincei

Premio 'Lucio Colletti' per Giornalismo Scientifico, attribuito nel 2016 dal Centro di Studi Lucio Colletti

Premio 'Alfonso Susca' per la Diffusione della Scienza, attribuito nel 2018 dalla Accademia Nazionale dei Lincei

Socio corrispondente dell'Accademia Nazionale dei Lincei dal 2018

Attività di ricerca e di terreno :

I principali interessi di ricerca riguardano l'evoluzione del genere Homo, anche in base a un approccio evodevo, e la biologia scheletrica di popolazioni umane antiche. Ha studiato reperti fossili umani compresi tra il Paleolitico inferiore e il Neolitico, dedicando particolare attenzione al primo popolamento dell'Europa (attraverso lo studio del cranio fossile di Ceprano), all'evoluzione dell'uomo di Neanderthal (prendendo principalmente in esame i fossili di Saccopastore, del Monte Circeo e il cosiddetto "Uomo di Altamura") e alla transizione da forme arcaiche del genere Homo alla specie moderna. Ha inoltre analizzato serie scheletriche della tarda preistoria e di epoca storica, con particolare riferimento al passaggio dalla caccia e raccolta alla produzione del cibo nel Sahara centrale (Fezzan, Libia) e alla transizione dall'Età Romana all'Alto Medioevo in Italia, occupandosi di aspetti sia microevolutivi che adattativi delle popolazioni. Le metodologie maggiormente utilizzate includono sia approcci morfologici e morfometrici tradizionali, sia tecniche di morfometria geometrica, sia il trattamento di dati digitali di natura radiologica (tomografia computerizzata); includono anche analisi di dati discreti d'interesse fenetico e/o epigenetico, anche in base a originali e innovative procedure inferenziali (hypostotic scores).

Interessi anche per la storia naturale dei primati, per l'antropologia dentaria e per la storia dell'antropologia (fisica), della paleontologia umana e del pensiero evoluzionistico.

Attività di terreno in vari siti in Italia, Libia, Spagna, Giordania, Sudafrica Tanzania ed Etiopia. Dal 2001 al 2010 è stato co-direttore degli scavi geo-paleontologici e archeologico-preistorici in siti del Paleolitico inferiore nel bacino di Ceprano (Frosinone, Italia), per concessione della Soprintendenza Archeologica del Lazio.

Partecipa al nuovo recente ciclo di interventi nel sistema carsico di Lamalunga (Altamura, Bari), incluso il prelievo effettuato nel 2008 (con l'autorizzazione e il coordinamento della Direzione Regionale per i Beni Culturali e Paesaggistici della Puglia) di un frammento di scapola dal vano retrostante il cosiddetto "abside dell'uomo" volto allo sviluppo di analisi morfologiche, paleogenetiche e cronometriche tuttora in corso sull'Uomo di Altamura.

La sua attività di ricerca è documentata da articoli scientifici, molti dei quali sono su riviste internazionali con fattore di impatto, fra cui: *Proceedings of the National Academy of Sciences USA*, *Nature Communications*, *The Anatomical Record*, *Evolutionary Anthropology*, *Journal of Human Evolution*, *American Journal of Physical Anthropology*, *American Journal of Human Biology*, *Current Anthropology*, ecc. Una selezione, limitatamente agli anni compresi fra il 2001 e il presente, è riportata in appendice.

Ha partecipato a decine di congressi nazionali e internazionali, anche come invited speaker e/o chairperson (Johannesburg, Gibraltar, Zagreb, Tempe, Paris ecc.). Ha organizzato ed è stato membro di comitati scientifici e/o organizzativi di congressi e colloqui. Ha anche tenuto seminari e conferenze in diversi contesti in Italia e all'estero.

Attività editoriale e di peer-review :

Membro del Comité de Lecture del «Bulletin and Mémoires de la Société d'Anthropologie de Paris»; dal 2001.

Associate Editor dell'«American Journal of Physical Anthropology»; dal 2012 al 2019.

Membro dell'Editorial Board dei «Rendiconti Lincei - Scienze Fisiche e Naturali», Accademia Naz. Lincei; dal 2014.

Reviewer per diverse riviste scientifiche, fra cui: «American Journal of Human Biology», «American Journal of Physical Anthropology», «Bulletin and Mémoires de la Société d'Anthropologie de Paris», «Comptes-rendus de l'Académie des Sciences de Paris», «Comptes Rendus Palevol», «Current Anthropology», «Journal of Anthropological Sciences» (già «Rivista di Antropologia»), «Journal of Archaeological Sciences», «Journal of Human Evolution», «Nature», «Proceedings of the National Academy of Sciences USA» ecc.

Insegnamento e divulgazione :

Insegna stabilmente alla Sapienza da quasi vent'anni, tenendo corsi per studenti della Facoltà di Scienze Matematiche Fisiche e Naturali (CAD di Scienze Biologiche, Scienze Naturali e Beni Culturali) e per la 1ma Scuola di Specializzazione in Archeologia. I corsi tenuti negli ultimi anni sono: Evoluzione umana, già Paleoantropologia (6 CFU), Ecologia umana e storia naturale dei primati (6 CFU), Paleontologia e antropologia nella divulgazione scientifica (3/9 CFU), Laboratorio di museologia (3/12 CFU), Museologia 6 CFU); Paleontologia Umana (5 CFU); in passato ha inoltre tenuto insegnamenti di “antropologia fisica” per corsi di studi in Antropologia Culturale e in Archeologia.

Relatore di decine di tesi di laurea o di specializzazione e docente-guida di diverse tesi di dottorato.

E' stato membro del Collegio Docenti del dottorato di ricerca in Biologia Animale (1999-2010) ed è membro del Collegio Docenti del dottorato di ricerca in Biologia Ambientale ed Evoluzionistica (dal 2011).

Membro del Comitato Scientifico e docente della Scuola di Paleontologia Umana in essere presso l'Università degli studi di Perugia (dall'a.a. 2010-2011 a oggi) a cui è associata una summer school a Olduvai in Tanzania.

Autore di numerosi articoli e altri contributi alla divulgazione scientifica, pubblicati su quotidiani (Corriere della Sera, Il Sole 24 Ore, Il Riformista ecc.), periodici (Le Scienze, Quark, Darwin, Venerdì di Repubblica ecc.) e siti web. Partecipante in programmi televisivi e trasmissioni radiofoniche di divulgazione scientifica. Conferenziere e saggista, ha tenuto innumerevoli conferenze a carattere divulgativo e ha pubblicato negli ultimi anni per Il Mulino (Bologna) i seguenti saggi di taglio narrativo-didattico: Homo sapiens (2006), L'evoluzione umana (2007), Uomini e ambienti (2009, con A. Vienna), Scimmie (2011, con J. Rizzo), Il grande racconto dell'evoluzione umana (2013); per Laterza (Roma-Bari) ha pubblicato La scienza delle nostre origini (2013, con C. Tuniz e D. Caramelli), ultimamente tradotto in lingua inglese negli USA con il titolo The Science of Human Origins (Left Coast Press, 2014).

Museologia e museografia :

Si occupa delle attività del Museo di Antropologia “Giuseppe Sergi” dal 1982. Nel tempo, ha coordinato altro personale non-docente e numerosi studenti interni a collaboratori volontari nella gestione del museo e delle sue varie attività (ricerca, conservazione, didattica-divulgazione) assumendo di fatto le funzioni di “conservatore”, qualifica conseguita anche sotto il profilo formale la posizione di Funzionario Tecnico (1989, a seguito di valutazione “qualifiche funzionali”), mantenuta fino al conseguimento del ruolo di Ricercatore universitario (1992, a seguito di concorso). Successivamente, a fianco alle attività di ricerca e didattiche (come Ricercatore prima e come Professore Associato poi), ha continuato a svolgere funzioni di promozione e di coordinamento dell'attività del museo, del quale è stato nominato Direttore nel 2004, carica che da allora ha continuativamente ricoperto e ricopre tuttora, oltre a essere stato recentemente nominato con Decreto Rettorale (ottobre 2012) Direttore del Polo Museale Sapienza, centro di spesa autonomo che coordina e integra i 20 musei dell'ateneo, e ne favorisce, sostiene e promuove le attività.

Inoltre, ha contribuito a numerose esperienze museografiche in altri contesti. Fra le ultime, meritano una menzione la partecipazione all'ideazione e alla cura de «La scimmia nuda», allestita presso il Museo

Tridentino di Scienze Naturali (aprile 2007 – gennaio 2008) e successive itineranze (Udine, Torino, Novara), o la consulenza per la Paleoantropologia dell'esposizione «HOMO SAPIENS: la grande storia della diversità umana», allestita al Palazzo delle Esposizioni di Roma (novembre 2011 – aprile 2012) e successive itineranze.

Selezione di pubblicazioni scientifiche (20):

Bastir M., Rosas A., Gunz Ph., Peña-Melián A., Manzi G., Harvati K., Kruszynski R., Stringer C. & Hublin J.J. (2011). Brain base evolution in highly encephalised human species. *Nature Communications*, 2, article n. 588.

Di Vincenzo F., Churchill S.E. & Manzi G. (2012). The Vindija Neanderthal scapular glenoid fossa: a comparative shape analysis. *Journal of Human Evolution*, 62: 274-285.

Di Vincenzo, F., Rodriguez, L., Carretero, J. M., Collina, C., Geraads, D., Piperno, M., et al. (2015). The massive fossil humerus from the Oldowan horizon of Gombore I, Melka Kunture (Ethiopia, >1.39 Ma). *Quaternary Science Reviews*, 122: 207-221.

Di Vincenzo F., Profico A., Bernardini F., Cerroni V., Dreossi D., Schlager S., Zaio P., Benazzi S., Biddittu I., Rubini M., Tuniz C. & Manzi G. (2017). Digital reconstruction of the Ceprano calvarium (Italy), and implications for its interpretation. *Scientific Reports*, 7: 13974, 1-11.

Gunz P., Tilot A.K., Wittfeld K., Teumer A., Shapland C.Y., van Erp T.G.M., Dannemann M., Vernot B., Neubauer S., Guadalupe T., Fernández G., Brunner H.G., Enard W., Fallon J., Hosten N., Völker U., Profico A., Di Vincenzo F., Manzi G., Kelso J., St. Pourcain B., Hublin J.-J., Franke B., Pääbo S., Macciardi F., Grabe H.J., Fisher S.E. (2019). Neandertal Introgression Sheds Light on Modern Human Endocranial Globularity. *Current Biology*, 29: 120-127.

Lari M., Di Vincenzo F., Borsato A., Ghirotto S., Micheli M., Balsamo C., Collina C., De Bellis G., Frisia S., Giacobini G., Gigli E., Hellstrom J.C., Lannino A., Modi A., Pietrelli A., Pilli E., Profico A., Ramirez O., Rizzi E., Vai S., Ventura D., Piperno M., Lalueza-Fox C., Barbujani G., Caramelli D. & Manzi G. (2015). The Neanderthal in the karst: first dating, morphometric, and paleogenetic data on the fossil skeleton from Altamura (Italy). *Journal of Human Evolution*, 82: 88-94.

Manzi G. (2016). Humans of the Middle Pleistocene: The controversial calvarium from Ceprano (Italy) and its significance for the origin and variability of *Homo heidelbergensis*. *Quaternary International*, 411: 254-261.

Manzi G., Magri D. & Palombo M.R. (2011). Early–Middle Pleistocene environmental changes and human evolution in the Italian peninsula. *Quaternary Science Reviews*, 30: 1420-1438.

Masao F.T., Ichumbaki E.B., Cherin M., Barili A., Boschian G., Iurino D.A., Menconero S., Moggi-Cecchi J. & Manzi G. (2016). New footprints from Laetoli (Tanzania) provide evidence for marked body size variation in early hominins. *eLife* 2016, 5: e19568.

Micarelli, I., Paine, R., Giostra, C., Tafuri, M.A., Profico, A., Boggioni, M., Di Vincenzo, F., Massani, D., Papini, A., Manzi, G. (2018). Survival to amputation in pre-antibiotic era: a case study from a Longobard necropolis (6th-8th centuries AD). *Journal of Anthropological Sciences*, 96: 1-16.

Mounier A., Condemi S. & Manzi G. (2011). The stem species of our species: a place for the archaic human cranium from Ceprano, Italy. *PLoS ONE*, 6 (4): e18821.

Pereira, A., Nomade, S., Moncel, M.-H., Voinchet, P., Bahain, J.-J., Biddittu, I., Falguères, C., Giaccio, B., Manzi, G., Parenti, F., Scardia, G., Scao, V., Sottili, G., Vietti, A. (2018). Integrated geochronology of Acheulian sites from the southern Latium (central Italy): Insights on human-environment interaction and the technological innovations during the MIS 11-MIS 10 period. *Quaternary Science Reviews*, 187: 112-129.

- Peretto C., Arnaud J., Moggi-Cecchi J., Manzi G., Nomade S., Pereira A., Falguères C., Bahain J.J., Grimaud-Hervé D., Berto C., Sala B., Lembo G. Muttillio B., Gallotti R., Thun Hohenstein U., Vaccaro C., Coltorti M. & Arzarello M. (2015). A Human Deciduous Tooth and New $^{40}\text{Ar}/^{39}\text{Ar}$ Dating Results from the Middle Pleistocene Archaeological Site of Isernia La Pineta, Southern Italy. *PLoS ONE*, 10 (10): e0140091.
- Profico A., Di Vincenzo F., Gagliardi L., Piperno M. & Manzi G. (2016). Filling the gap. Human cranial remains from Gombore II (Melka Kunture, Ethiopia; ca. 850 ka) and the origin of *Homo heidelbergensis*. *Journal of Anthropological Sciences*, 94: 41-63.
- Profico A., Piras P., Buzi C., Di Vincenzo F., Lattarini F., Melchionna M Veneziano A., Raia P., Manzi G. (2017). The evolution of cranial base and face in Cercopithecoidea and Hominoidea: modularity and morphological integration. *American Journal of Primatology*, 79: e22721.
- Raia P., Boggioni M., Carotenuto F., Castiglioni S., Di Febbraro M., Di Vincenzo F., Melchionna M., Mondanaro A., Papini A., Profico A., Serio C., Veneziano A., Vero V.A., Rook L., Meloro C., Manzi G. (2018). Unexpectedly rapid evolution of mandibular shape in hominins. *Scientific Reports*, 8 (1): 7340.
- Schlager S., Profico A., Di Vincenzo F., Manzi G. (2018). Retrodeformation of fossil specimens based on 3D bilateral semi-landmarks: Implementation in the R package "Morpho". *PLoS ONE*, 13 (3): e0194073.
- Tafuri M.A., Goude G., Manzi G. (2018). Isotopic evidence of diet variation at the transition between classical and post-classical times in Central Italy. *Journal of Archaeological Science*, 21: 496-503.
- Tafuri, M.A., Zangrando, A.F.J., Tessone, A., Kochi, S., Cecchi, J.M., Vincenzo, F.D., Profico, A., Manzi, G. (2017). Dietary resilience among hunter-gatherers of Tierra del Fuego: Isotopic evidence in a diachronic perspective. *PLoS ONE*, 12 (4): e0175594.
- Vai S., Sarno S., Lari M., Luiselli D., Manzi G., Gallinaro M., Mataich S., Hübner A., Modi A., Pilli E., Tafuri M.A., Caramelli D., Di Lernia S. (2019). Ancestral mitochondrial N lineage from the Neolithic 'green' sahara. *Scientific Reports*, 9: 3530.

Selezione di pubblicazioni divulgative (10):

- Manzi G. (2017). *Ultime notizie sull'evoluzione umana*. Il Mulino, Bologna.
- Manzi G. (2016). *L'uomo migrante*. *La Lettura / Corriere della Sera*, 5 giugno.
- Manzi G. (2013). *Il grande racconto dell'evoluzione umana*. Il Mulino, Bologna.
- Manzi G. (2013). *Il prigioniero di Altamura*. *Il Venerdì di Repubblica*, 4 ottobre.
- Manzi G. & Rizzo J. (2011). *Scimmie. Osservare loro per conoscere noi*. Il Mulino, Bologna.
- Manzi G. & Vienna A. (2009). *Uomini e ambienti. Il colore della pelle e altre storie*. Il Mulino, Bologna.
- Manzi G. (2007). *L'evoluzione umana. Ominidi e uomini prima di Homo sapiens*. Il Mulino, Bologna.
- Manzi G. (2006). *Darwin, Huxley e il "bersaglio grosso"*. Prefazione a J.L. Arsuaga, "Luce si farà sull'origine dell'uomo"; pp. VII-XXI. Feltrinelli, Milano.
- Manzi G. (2006). *Homo sapiens. Breve storia naturale della nostra specie*. Il Mulino, Bologna.
- Manzi G. (2001). *Storie di fossili italiani*. Postfazione a J.L. Arsuaga, "I primi pensatori e il mondo perduto di Neandertal"; pp. 259-280. Feltrinelli, Milano.